

数字

I 細胞遺伝子発現解析	159
I 分子実時間シーケンサー	237
3P-Seq	254
3'-Seq	120
3'UTR (3'非翻訳領域)	119, 143, 199
4-sU (4-thiouridine)	141, 144, 151
5-BrU (5-bromouridine)	142, 144
5'EST 配列	107
6-sG (6-thioguanosine)	151
10X Genomics	234
16S 菌叢解析	191

欧文

A

AGO (Argonaute)	58
ALDH2	262
AMPure XP	28, 33
APA (alternative polyadenylation)	119
aNSC (activated NSC)	213
ATAC-Seq	181, 199
A-to-I RNA 編集	113

B

BAM ファイル	39, 49
Bioconductor	96
BioMart	271
Bowtie	40, 124, 135, 192
BRIC (bromouridine immunoprecipitation chase)	145
BrU	142
BrUTP	140
BS-Seq	109

C

CI システム	174
CAGE	98, 228, 268
CAGE ピーク	268

cDNA 合成	166
CEL-Seq	83, 170
CentroidFold	257
cERMIT	157
ChIP-Seq (chromatin immunoprecipitation sequencing)	108, 139, 199, 220
CHOPS 症候群	219
CIP (calf intestinal alkaline phosphatase)	153
CLIP 法	149
collapse mapping	116
CpG アイランド	112
CRE (cis-regulatory element)	184
CRE-Seq	184
cSNP	227
Cufflinks	39, 45
CytoSeq	162

D

DBTSS	51, 108
DDBJ	41
DEG	225
DEPC (diethylpyrocarbonate)	17
DGGE 法	190
DNase I	154
DNase I -Seq	139
DNA ポリメラーゼ	236
Droplet	160
Drop-Seq	160
DR-Seq	181

E・F

editing ratio	114
EEM (Extraction of Expression Module)	205
electroelution	156
ENCODE	139, 268
enhancer RNA	148
eQTL (expression quantitative trait locus)	107, 262

EST (expressed sequence tag)	228
FACS	186
FANTOM	268
FANTOM5 SSTAR	269
FASTQ	39, 48
FF ontology	269
FFPE (formalin-fixed paraffin-embedded)	69, 234
FISSEQ (fluorescent <i>in situ</i> sequencing)	230
FPKM	22, 39, 45
fusionfusion	207

G

Genomon	208
Genomon2	208
Genomon-fusion	207
GEO	205
GO (gene ontology)	204, 218, 226
GRO-Seq	139
GSEA (gene set enrichment analysis)	201, 204, 226
GTEx (Genotype-Tissue Expression)	262
G&T-Seq	181

H~J

Halo タグ	152
heterogeneity	181, 213, 230
HITS-CLIP 法	149, 199
Homebrew	40
iCLIP 法	149
IGV	40, 45, 180
iJGVD (Integrative Japanese GenomeVariation Database)	265
inDrop RNA sequencing	162
ISS (<i>in situ</i> sequencing)	230
IVT (<i>in vitro</i> transcription)	83, 160, 170
jMorp (Japanese Multi Omics Reference Panel)	266

L

LAST	245
LCM (laser-capture microdissection)	70
LIMS (laboratory information management system)	76, 265
LNA (locked nucleic acid)	84, 168
LNA-TSO	172
LPS	199

M

MARS-Seq	159
MDA 法	166
MetaGeneAnnotator	192
Metrichor	245
MinION	242
miRBase	250
miRNA	52, 94, 250
MNase	153
MNase-Seq	108
MPFD	183
MPRA	183
mRNA/gDNA 同時解析	173
mRNA-Seq	29
mRNA-リボソーム複合体	132
mRNA 前駆体	63
mRNA 発現解析	166

N

N50 スキャフォールド長	238
nAnT (no Amplification and no Tagging) -iCAGE 法	99
Nascent-Seq	140
nCounter	233
ncRNA	50, 113, 136, 148, 173, 188
NET-Seq	140
NGS ハンズオン講習会	97
NMD (nonsense-mediated mRNA decay)	144, 201
NSC (neural stem cell)	213

Nx1-Seq	164
---------	-----

O~Q

OCT コンパウンド	70
ORF (open reading frame)	133
PacBio RS	236
PARalyzer	157
PAR-CLIP	149, 199
PAXgene Tissue	70
PBs (processing bodies)	201
PBMC	75
PCA 法	183
P _{CT}	253
Phred	49, 115, 128, 135, 245
polyA_DB	119
precursor mRNA	63
PromethION	245
PRO-Seq	140
qNSC (quiescent NSC)	213
Quartz-Seq	83, 170
QV	49, 115

R

R	13, 96
RBP	149
RCA (rolling-circle amplification)	230
RefEx	228
Regnase-1	198
rER	201
RG (radial glia)	215
Ribo-Zero	35
RIN (RNA integrity number)	14, 22, 72
RIP (RNA immunoprecipitation)	57, 149, 199
RISC (RNA-induced silencing complex)	58, 250
RNA Access	233
RNase	17, 151
RNase T1	153

RNaseZap	17
RNA の2次構造予測	256
RNA ポリメラーゼ II	139
RNA ラダー	24
RNA 結合タンパク質	149
RNA 品質管理機構	143
RNA 分解速度	119, 143
RNA 免疫沈降法	52
RNeasy	16
Roadmap Epigenomics プロジェクト	139
Roquin	199
RPKM	11, 22, 39, 45, 193
rRNA の除去	26, 35, 193
RT-LAMP	247
(R で) 塩基配列解析	96

S

SAMtools	39
scRRBS	181
SensiPhi	169
SG	201
small RNA	52
SMART	84, 167
SMARTer	167, 174
SMART-Seq	84
SMART-Seq2	84, 167, 170
SMRT	237
snRNA	63
SNV	262
“split-and-pool”DNA 合成法	160
SPRI (solid phase reverse immobilization) ビーズ	16
STARR-Seq	185
Stranded mRNA-Seq	29
STRT	181
STRT-Seq	84
Synthetic Long Read	91

T

T4 polynucleotide kinase (T4 PNK)	153
Table Browser	42, 275
TargetScan	54, 252
TCGA	205
TDP-43	152
TET	271
TIVA (transcriptome <i>in vivo</i> analysis)	232
ToMMo (Tohoku Medical Megabank Organization)	75, 264
TopHat	38, 44
total RNA	16
T-RFLP 法	190
TRIP	185
TRIzol	16
TSO	84, 168
TSS (transcription start site)	98, 107
TSS-Seq	107

U・W・Z

UCSC Track Data Hub	269
UCSC ゲノムブラウザ	42, 269
UMI (unique molecular identifiers)	84, 160
uORF (upstream ORF)	134
UPF1	201
UTR	119
Waterfall	215
waveguide	237
WTA (whole transcriptome amplification)	83
ZENBU	269
ZMW (zero-mode waveguide)	237

和文

あ

アクチノマイシンD	30
アストロサイト	212

アダプター	52
アダプターダイマー	35
アルデヒドデヒドロゲナーゼ	262
遺伝子ネットワーク推定手法	206
遺伝子発現解析	29, 38, 98
遺伝子発現量データの解析	204
ウラシルDNA グルコシラーゼ	30
エクソーム配列解析	219
エネルギーモデル	257
エピゲノム	110, 239
エピジェネティック制御	199
エボラウイルスのゲノム解読	245
塩基対確率	257
炎症性サイトカイン	197
エンハンサー	182, 268
オミクス	14, 74
オミクスデータベース	265
オリゴキャッピング法	107
オリゴデンドロサイト	212

か

改変型 SMART-Seq2	171
核画分	63
核酸アナログ	141, 144
核酸保護剤	70, 76
獲得免疫	197
核内低分子 RNA	63
確率モデル	257
活性化神経幹細胞	213
簡易ラボシステム	75
患者由来細胞	217
完全長 cDNA	98, 188
完全長 mRNA	92
がんのシステム異常	204
期待精度最大化	257
機能性 RNA	256
キャップ・トラッパー法	98, 107
キャップ構造	107
休止期神経幹細胞	213

偽陽性	116
共相関解析	226
クオリティスコア	49, 128, 135, 245
苦悩の多い NGS データ解析者	249
クローンライブラリー法	190
クロスコンタミ	66
群間比較	106, 248
血液検体	74
血漿プロテオーム	266
ゲノムアセンブリ	238
ゲノムコホート研究	74
原虫	222
高品質リード	115
コホート研究	74
コルネリア・デ・ランゲ症候群	219

さ

サークルコンセンサスリード	92
再現率	117
最小自由エネルギー予測	256
サイズセレクション	52
細胞質画分	63
細胞の特徴づけ	248
最尤推定	256
サテライト	75
鎖特異的 cDNA ライブラリー合成	170
参照ゲノム	10, 38, 225
シークエンス深度	11
シード領域	252
シクロヘキシミド	132
自然免疫	197
修飾塩基	260
周辺確率	259
宿主-病原体相互作用	222
樹状細胞	197
主成分分析	193
ショ糖密度勾配遠心	64, 132
シリカメンブレン	16

シングルセルRNA-Seq	93, 159, 166, 174, 202, 212, 227
神経幹細胞	213
人生の指針	248
ストレス顆粒	201
スプライシング異常	209
スプライシング多型	92
スプライシングバリエント	263
成体神経幹細胞	213
生物学的反復数	90
生物種間保存性指標	253
セロタイピング	247
染色体異常症	218
選択的ポリアデニル化	119
先天異常症候群	217
全トランスクリプトーム増幅	83
相関係数	194
組織検体	69
組織特異性	263
粗面小胞体	201

た

対数尤度比	117
ダウン症候群	218
脱アデニル化	199
ダブレット	177
単一遺伝子異常症	218
長鎖ノンコーディングRNA	131, 148
腸内細菌叢	190
データベース	228
テープステーション	21
適合率	117
転写因子結合情報	110
転写因子結合モチーフ	106, 268
転写開始点	93, 98, 107, 268
転写後制御	67
転写制御	107, 142
転写調節	106
テンプレートスイッチオリゴ	84

テンプレートスイッチング	167
テンプレートスイッチング用オリゴ	168
統計的な評価	117
統計的に有意	92
凍結	70
動的計画法	256
導波管	237
東北メディカル・メガバンク機構	75
東北メディカル・メガバンク事業	74, 264
特定健康診査会場	75
トランスクリプトーム	14, 74, 239, 262
トリソミーレスキュー	218

な

ナノポア	242
日本人標準リファレンスゲノムパネル	265
ニューロン	212
ノンコーディングRNA	50, 113, 136, 148, 173, 188

は

バーコード	84, 159, 182, 234
バイオアナライザ	21
配列特異性	259
発現解析	29, 38, 92
発現調節	142
発現モジュール	205
ヒト臨床検体	69
非ポリA RNA	173
非翻訳領域	119
病原体	222
微量サンプル	83
品質スコア (QV)	49, 115
フェノール・クロロホルム抽出	16
複数細胞のキャプチャー	177
プロモーター	182, 268
プロモーター活性測定法	98
分子バーコーディング	234

分子プロファイル	99
ペアエンド技術	115
ヘアピン構造	250
編集率	114
放射状グリア	215
ポリA RNA精製	31
ポリアデニル化部位	119
ポリソーム画分	63
ポリソームプロファイリング	132
ボルツマン分布	256
ホルマリン固定パラフィン包埋	69, 234
翻訳	132

ま

マイクロRNA	52, 119, 250
マクロファージ	197
マッピング	10, 38
マラリア	222
ミクログリア	212
メタゲノム	190
メタトランスクリプトーム	190
メタボローム	265
免疫	197
免疫沈降法	57
モノソーム	133

や

有意差	92
融合遺伝子	46, 93, 206
溶菌法	193

ら

ライブラリーのQC	27
ライブラリーのサイズセレクション	28
リード数	90
リクルート	75
リファレンスゲノム	10, 114, 265
リボソームプロファイリング	132
レアファクションカーブ	193
レポーターアッセイ	182