

## 数 字

- 3大遺伝子配列データベース ..... 92  
 1000 Genomes Project ..... **72**  
 1000人ゲノム ..... 138

## 欧 文

## A・B

- API アクセス ..... 111  
 BioCyc ..... 105  
 BioDBCore ..... 55  
 BioHackathon ..... 178  
 Biomedical Informatics Research Network ..... 50  
 BioRuby ..... 176  
 BIRN ..... 50  
 Broad Institute of Harvard and MIT ..... **72**  
 BioResource World ..... 41

## C・D

- CDCV ..... 137  
 ChemBank ..... 50  
 ChEMBL ..... 51  
 ChemSpider ..... 51  
 ChIP-Seq ..... 60, 76  
 ChIP-Seq 解析 ..... 64  
 CiteULike ..... 228  
 CLC Genomics Workbench ..... 191  
 CNV ..... 141, 163  
 common disease-common variant ..... 137  
 copy number variation ..... 141  
 CTD ..... 155  
 Cytoscape ..... 185  
 dbGAP ..... 162

- DBTSS ..... 82  
 DDBJ ..... 28  
*de novo* アセンブリ ..... 205  
 DIAM ..... 58  
 DOR ..... 31  
 DP ..... 230, **231**  
 DRA ..... 30, 207  
 DrugBank ..... 217

## E～G

- e-Science ..... 136  
 EGA ..... 162  
 ELIXIR ..... 52  
 EMBL ..... 51  
 EMBL-Bank ..... 29  
 ENCODE ..... **72**  
 EndNote ..... 227  
 Entrez Programming Utilities (E-Utilities) ..... 113  
 EupathDB ..... 157  
 European Life sciences Infrastructure for Biological Information ..... 52  
 European Molecular Biology Laboratory ..... 51  
 Faculty of 1000 ..... 226  
 FAIRE-Seq ..... 77  
 Galaxy ..... 182  
 GenBank ..... 29  
 genome-wide association study ..... 137  
 Google Scholar ..... 104  
 GPCR ..... 218  
 Grisk ..... 58  
 GWAS ..... 137, 160  
 Gタンパク質共役受容体 ..... 85

## H～J

- Health Information Technology for Economic and Clinical Health (HITECH) Act ..... 50  
 hemagglutinin ..... 213  
 HiC-Seq ..... 77  
 hmChIP ..... 79  
 ICD ..... 155  
 IEDB ..... 158  
 IGV ..... 72  
 imputation ..... 138  
 INSDC ..... 28, 206  
 IP ..... **234**  
 IRD ..... 157  
 IUBMB ..... 106  
 JASPAR ..... 80  
 JavaScript Object Notation ..... 36  
 JSNP データベース ..... 138  
 JSON ..... **36**

## K・L

- KAAS ..... **22**  
 KEGG ..... 105, 156  
 KEGG API ..... 108  
 KEGG DISEASE ..... 145  
 KNAPSAcK ..... 127  
 KOALA ..... **22**  
 LD ..... 137  
 linkage disequilibrium ..... 137  
 LinkDB ..... 21, 27  
 long seed アプローチ ..... **195**

## M

- MAGE-TAB 形式 ..... 208  
 MCSIS project ..... 218  
 MEDALS ..... 54  
 MEDALS 横断検索 ..... 56  
 MediaWiki ..... 136

Medical Subject Headings	113	positive predictive value	231	SYMPHONIE	147
MEDLINE	<b>223</b>	PosMed	36	Syndrome Finder	147
MEGA5	213	POSSUM web	147	Synthetic biology	38
Mendeley	227	PPV	231	<b>T ~ Z</b>	
MeSH	<b>226</b>	Predictor	73	TargetMine	218
METI	54	Protegen	158	TogoDoc	222
MIAME ガイドライン	<b>91</b>	PubChem	50, 216	TogoWS	178
MIRA	190	PubMed	223	TRANSFAC	80
missing heritability問題	140	PubMed/MEDLINE	110	UR-DBMS	147
MitoCheck	51	PubMedScan	59, 228	varDB	158
mmCIF	101	q-gram 定理アプローチ	<b>195</b>	Variant Effect	73
MNase-Seq	76	QTL	140	Variant Effect Predictor	72
MPromDb	82	Quantitative Trait Loci 解析	140	VectorBase	157
MutationView	147	<b>R • S</b>		ViPR	156
MyNCBI	225	RAxML	212	Web API	<b>107</b>
myPresto	58	RCSB PDB	99	WGR/JGR	42
<b>N • O</b>		RDF	179	WGS	205
National Center for Research Resources	50	Reactome	105	wwPDB	98
NBRP	40	Research Resource Circulation	42	XML	<b>106</b>
ncRNA	229	RNA	229	Zotero	227
NCRR	50	RNA-Seq	60, 65, 76	<b>和 文</b>	
Newbler	190	RNA間相互作用	234	<b>あ</b>	
non-coding RNA	229	SAM (BAM) フォーマット	205	アドオン	<b>227</b>
N-グリカン	121	SBDD	219	アノテーション	22, 133
OMIM	145, 154	SciNetS	33	アラート機能	59
O-グリカン	121	sensitivity	231	アンサンブル	231
<b>P • Q</b>		single nucleotide polymorphism	137	一塩基多型	137
Papers	227	SNOMED	155	遺伝医学	152
PATRIC	156	SNP	137	遺伝形質	145
PDBe	99	SNV	165	遺伝子共発現	<b>94</b>
PDBj	98	SQL データベース	88	遺伝的背景	144
PDBML	101	SRA	70	医薬品探索	216
PeakSeq	79	Structure-based drug design	219	インフルエンザ	157
Personal Health Records	171			インフルエンザ・ウイルス	213
PhyML	212				

ウイルス病原体	156	系統解析	210	疾患	144
ウェブアプリケーション	182	結合二次構造	234	疾患原因遺伝子	155
ウェブサービス	177	結合部位	234	実験ファクター	93
疫学研究	167, 168	ゲノムプラウザ	70	実験プロトコル	118
エキソーム	60, 70	ゲノムワイド関連解析	137	質量分析	127
エキソーム解析	61	ゲノム設計	38	シュードノット	231
エクソームシークエンス	141	ゲノム毒性	155	症状	144
エピトープ	158	ケミカル・バイオロジー	132	真核生物病原体	157
塩基対	229	ケモインフォマティクス	132, 216	推論検索	35
塩基対確率	232	原因遺伝子	149	スーパーファミリー	86
欧州分子生物学研究所	51	検索	110	整数計画法	234
横断検索	54	抗原変異タンパク質	158	生物遺伝資源委員会	48
オーダーメイド医療	142	更新検知ツール	55	セマンティック・ウェブ	
オーダーメイド医療実現化プロジェクト	139	合成生物学	38	セマンティック JSON	36
オープンソース	46, 176	構造・機能ドメイン	84	全ゲノムシークエンス	141
オープンバイオ	176	酵素番号	106	相互運用性	178
オミクス	17	コール	139	創資源	38
オントロジー	94, 179	国際HapMap計画	138	祖先配列	214
<b>か</b>		国際ガンゲノムコンソーシアム	186	ソフトウェア	177
解析ツール	18	国民識別番号	170	<b>た</b>	
解析プラットフォーム	182	国立研究資源センター	50	代謝物測定技術	128
核内受容体	218	コピー数多様性	141	タイピング	139
仮想ラボセンター	33	コホート研究	168	大量データ	182
カタログづくり	17	<b>さ</b>		多重アラインメント	102
活性部位予測	219	最節約法	210	单一遺伝子疾患	149
環境物質	156	サイネス	33	タンパク質間相互作用	84
基準振動解析	102	最尤系統樹探索法	211	タンパク質相互作用データ	185
キッシングヘアピン	235	最尤法	210	短リード用アセンブラー	191
距離行列法	210	サンガー法開発	188	地域コホート研究	170
クラウドコンピューティング	203	ジェイソン	36	知識発見	19
グリコシダーゼ	119	脂質二重膜	89	知識薬	39
クロマチン構造解析	64	システムズバイオロジー	132	長リード用アセンブラー	189
経済産業省	54	次世代シークエンサー		追加キーワードの提案機能	56
経済産業省ライフサイエンスデータベースプロジェクト	55	..... 76, 92, 139, 141, 142, 188		データトラック	72
		次世代シークエンスデータ	66	データベース	14
		自然言語処理技術	113		

データ共有	19, 183	バイオオントロジー	46	ペタバイト級データ	19
テキストマイニング	111	バイオデータベース	48	ヘマグルチニン	213
テレワーク	<b>39</b>	バイオバンクジャパン	139	ポータルサイト	54
電子カルテ	168	バイオリソース	40	ホモジーモデル	102
電子顕微鏡	102	ハイブリダイゼーション	234	<b>ま</b>	
転写因子結合部位	79	パスウェイ	104	膜タンパク質	84
転写因子データベース	80	パスウェイ再構築	24	マッシュアップ	114
転写開始点	82	発見的探索法	212	マッピング	194, 205
同義語検索	56	鳩の巣原理アプローチ	<b>195</b>	マッピング・ビューワ	194
統合データベース	178	ハプロタイプ解析	141	マッピング感度	<b>195</b>
統合データベースプロジェクト	15, 55, 59	バルクダウンロード	111	メタデータベース	87
糖鎖遺伝子	117	ヒストン修飾	79	メタボローム	24
糖鎖構造解析技術	117	ヒトゲノム計画	15	メタボロームデータベース	126
糖鎖付加位置	121	表記の揺れ	115	<b>ら</b>	
糖脂質	123	病原細菌	156	リファレンス・パスウェイ	107
糖タンパク質	123	病原体	124, 152	略語	114
動的計画法	230	病原体仲介昆虫	157	リンク自動管理システム	58
糖転移酵素	119	ファミリー	86	臨床研究	167, <b>168</b>
糖ペプチド	122	ファンクショナル・ゲノミクス	128	臨床試験（治験）	169
ドッキング計算	220	フォーマットの標準化	17	臨床情報データベース	167
トポロジー	<b>88</b>	フリーソフトウェア	184	レクチン	122
トランスクリプトーム解析	65	プロモータ配列	82	連鎖不平衡	137
<b>な</b>		文献管理	222	連鎖不平衡係数	<b>139</b>
二次構造	229	文献情報	110	<b>わ</b>	
日本DNAデータバンク（DDBJ）	203	文献推薦	222	ワーキンググループ	46
<b>は</b>		文献データベース	110	ワークフロー	178
パーソナルゲノム	19, 142	分子表面	103	ワクチン開発	158
バイオインフォマティクス	14, 133, 174	分子標的創薬	216		
		分配関数	231		
		分野別の統合化	18		