

索引

数字

- 2つのテキストを比較して差分を可視化する…………… 208
- 2つの配列のアライメントを確認する…………… 97
- 450以上の生命科学系データベースを一括検索する…………… 58
- 1000 Genome Project…………… 181
- 1,300件以上の国内外の生命科学系データベースの概要を検索し閲覧する…………… 54

和文

あ

- アクセッション番号のリストからエントリを取得する…………… 116
- アッセイ…………… 158
- アッセイ情報を調べる…………… 156
- アップロードされたスライドをウェブサイトやブログに埋め込む…………… 228
- アップロードされたスライドを簡単にSNSで共有する…………… 228
- アノテーション…………… 220
- アミノ酸配列のマルチプルアラインメント…………… 104
- アミノ酸配列をリファレンスゲノムへマッピングする…………… 100
- アミノ酸配列, タンパク質構造を検索する…………… 128
- 新たな略語をつくろうとしたとき, その略語がすでに存在しているかどうかを調べる…………… 202
- 新たに発見したmiRNAを登録する…………… 86
- あるアッセイ系に似たアッセイを調べる…………… 158
- ある生物種のコドン使用表を検索, 表示する…………… 118
- ある専門語に関連する概念を調べる…………… 200

- ある略語について, その正式名称を知る…………… 202
- ある略語が最初に文献に登場した時期を知る…………… 202
- 案内木…………… 106
- 一般的なWeb検索エンジンで見つからない情報にアクセスする…………… 58
- 遺伝子がかかわるパスウェイを調べる…………… 152
- 遺伝子間相互作用を調べる…………… 132
- 遺伝子のさまざまな情報を自在に取得する…………… 216
- 遺伝子発現解析…………… 160
- 遺伝子発現解析などで見出された不詳な遺伝子群の機能および関係性を調べる…………… 142
- 遺伝子発現データ…………… 142
- 遺伝子や転写産物をあらゆる語句から検索する…………… 78
- 遺伝子リストの生物学的機能を調べる…………… 152
- 遺伝子/タンパク質名やID番号, 化合物からパスウェイを検索する…………… 134
- 遺伝子, ゲノム, 生物種, 環境の情報を取得する…………… 68
- 一分子シーケンサー…………… 32
- イラストのファイルを変更して使用する…………… 226
- 医療系の研究助成等を検索・表示する…………… 236
- 医療系の研究助成機関等を検索・表示する…………… 236
- いろいろな数式を計算する…………… 210
- 因数分解, 展開する…………… 210
- インターネット…………… 42
- ウェブサイトへのアクセスから結果の見方まで, 操作の一挙手一投足がわかる…………… 48
- 英語で論文や記事を書く際に, よく使われる表現(前置詞など)を確認する…………… 204
- 英語の用法を調べる…………… 200

- 塩基配列の方向を視覚的にチェックする…………… 106
- 塩基配列またはアミノ酸配列から類似配列を調べる…………… 97
- 塩基配列やアミノ酸配列の完全一致検索…………… 78
- 塩基配列やアミノ酸配列を取得する…………… 222
- 塩基配列をリファレンスゲノムへマッピングする…………… 100
- エントリのフォーマットを形式変換する…………… 222
- エントリを部分取得する…………… 222
- 塩濃度…………… 111
- エンハンサー…………… 32
- オープンアクセス…………… 188, 192
- 横断検索…………… 14, 58
- 横断検索システムを介した外部データベース登録情報へアクセスする…………… 74
- 欧米人が頻用する構文を調べる…………… 200
- 応募書類を作成する…………… 223
- 同じ種類の配列モチーフから遺伝子を調べる…………… 80
- オフ会…………… 46
- オフターゲット効果…………… 114
- オフターゲット部位を予測する…………… 114
- およそ2,400万件の生命科学系論文から興味のある論文を検索する…………… 186
- オリジナル遺伝子セットを構築する…………… 154
- オルソログDBを介した外部データベース登録情報へアクセスする…………… 74
- オントロジー…………… 33, 68, 162
- オントロジーを利用したファセット検索…………… 68
- か
- 解析支援…………… 16
- 階層分類からパスウェイを探索・表示する…………… 134
- ガイドツリーを作成・表示する…………… 104

ガイドライン……………	15	求人情報……………	233, 235	研究関連の求人情報を検索する……	233
開発化合物を調べる……………	156	求人情報の通知を受ける……………	233	研究現場で頻繁に使われるデータベース やツールがわかる……………	48
科学技術用語の用語間関係のマップ表示, 関連文献数等の推移をグラフ表示で確 認する……………	56	共起表現……………	200	研究者間でデータベースを共同開発する ……………	224
化学構造……………	156, 158	共同編集……………	207	研究者情報サイトのresearchmapやSNS で本人が発信する情報から研究者を 調べる……………	230
化学物質を調べる……………	158	興味ある論文の全文を閲覧する……	186	研究助成……………	236
学会集会情報を検索・表示する……	238	興味がある遺伝子のオーソログをもつ 系統リストを取得する……………	76	研究人材のキャリアに関するコンテンツ やeラーニング教材を閲覧する…	233
学会団体……………	238	興味がある遺伝子の環境中の分布を 調べる……………	76	検索結果からリソースの分譲手続きサイ トにアクセスする……………	162
各書誌スタイルに合わせた、論文用レファ レンスを作成する……………	194	興味がある系統の環境中の分布を調べる ……………	76	原著論文、学位論文、特許などの研究成 果から研究者を調べる……………	230
各症例群の包括的なオミクスデータを 取得する……………	183	興味のある遺伝子やタンパク質に関する 記述としてよく使われる表現を 検索する……………	204	講演・講習動画……………	49
科研費をはじめとする研究資金の獲得状 況から研究者を調べる……………	230	近隣結合法によって系統樹を推定する ……………	106	公開された新型シーケンサのデータを 検索、ダウンロードする……………	173
化合物から酵素反応を検索する……	136	ググルナ (GGRNA)……………	78	公開された新型シーケンサの実験の詳細 を調べる……………	173
化合物の構造を調べる……………	158	クラウド……………	176	講義・講習などの参考資料や後輩指導の 教材として利用する……………	48
可視化……………	212	グラフ描画……………	210	公共データベースのエントリを取得する ……………	222
画像検索……………	52	計算……………	210	公共データベースのキーワード検索 ……………	222
学会情報を検索・表示する……………	238	系統的位置を考慮しながら新しい配列を 追加する……………	106	高速に漏れなくゲノム配列を検索する ……………	102
学会年会……………	46	系統樹……………	106, 108	酵素の反応速度定数などを取得する ……………	136
稼動状況……………	54	ゲゲゲノム (GGGenome)……………	102	酵素反応……………	136
関係データベース……………	224	ゲノミクス……………	34	酵素反応を検索する……………	136
がんゲノム……………	183	ゲノムアノテーション……………	65	公募情報……………	233
がんゲノムデータを条件指定検索する ……………	183	ゲノムおよびメタゲノム配列……………	70	国際塩基配列データベース……………	120
がん種別の塩基配列変異の頻度を 調査する……………	183	ゲノム解析に用いるファイル形式に 変換する……………	176	国際実務者会議……………	16
完全長cDNA……………	31	ゲノムコホート……………	16	個々の遺伝子の簡単な特徴を調べる ……………	82
関連するプロジェクトをたどる……	72	ゲノム上の座標に基づいてゲノム配列に 付与された情報 (ゲノムアノテーシ ョン) を閲覧する……………	65	個々の非コードRNAについて、その構造 や機能の簡単な特徴を調べる……	84
キーワードから関連する研究者、文献、 特許、研究課題、機関、科学技術用語、 化学物質、遺伝子、資料、研究資源を 一括情報収集する……………	56	ゲノム上の物理位置に関連づけられた複 数の情報をグラフィカルに表示する ……………	62	個人と集団、あるいは集団間で比較する ……………	180
キーワードから生物種横断的に バイオリソースを探す……………	162	ゲノムだけでなく転写産物の検索にも 対応……………	102	コドン使用頻度……………	118
キーワード検索……………	54, 124	ゲノムデータベース……………	68	個別のゲノム配列アノテーションに対す る相同性検索……………	97
キーワード検索により特定の遺伝子群の コドン使用表を集計する……………	118	ゲノム配列から生物種の由来を推定する ……………	120	誤認細胞……………	164
機械学習……………	13	ゲノム配列情報などの登録・一部の遺伝 子機能アノテーションツールを 提供する……………	70		
キナーゼ、GPCRの構造活性相関情報を 調べる……………	156	ゲノムプロジェクト……………	70		
気になる研究者へコンタクトする…	56	ゲノムプロジェクトの進行状況を 閲覧する……………	70		
機能解析……………	152	ゲノム編集……………	114		
機能性RNA……………	92				
キャリア支援……………	233				
求人機関に応募書類を送付する……	233				

さ

最近の実行履歴を閲覧する…………… 97

細胞株を生物種、組織名、株番号、 その他のキーワードで検索する …	164
細胞株を注文する、または寄託する ……………	164
細胞の培養条件や方法を知る……………	164
細胞認証に必要な情報を得る……………	164
雑誌名や著者名、日付から生命科学系論 文を検索する……………	186
さまざまな細胞や組織で遺伝子の発現量 を比較する……………	80
さまざまなデータベース間でのエン트리 IDの変換……………	124
さまざまな変数の関係を可視化する ……………	210
シグナルパスウェイ……………	134
時差を検索する……………	51
次世代シーケンサー……………	12, 178, 183
疾患関連遺伝子……………	148
実験生物材料……………	162
実験データを解析する(例:過剰発現遺 伝子群の機能予測)……………	212
実験データをパスウェイ情報へ マッピングする……………	134
実際の画像データや使用実績をもとに 比較しながら、目的に合う抗体を 検索する……………	144
質問応答システム……………	16
自分が考えた英語の前例があるか調べる ……………	200
自分が興味ある論文のリストを作成する ……………	189
自分が執筆した論文のリストを作成する ……………	189
自分が登録した論文をもとにした 関連文献のリストを得る……………	189
自分のもつデータを公共アノテーション データと統合して表示・共有する ……………	62
絞り込み検索……………	54
集団特異的な多型情報をGWASに 応用する……………	180
承認医薬品を調べる……………	156
小分子ノンコーディングRNA ……	86, 88
情報検索……………	56
情報収集……………	49
植物DNAマーカーとQTLを検索する ……………	74
植物オルソログ遺伝子を検索する…	74

植物ゲノム解析手法に関する情報を 閲覧する……………	74
植物ゲノム関連データベースリンク集 ……………	74
植物リソース情報を検索する……………	74
人材育成……………	16
人的ネットワーク……………	235
信頼性……………	199
数式処理……………	210
数値計算……………	211
スケジュールを管理する……………	51
スプライシングに対応した部分配列を 取得する……………	222
正規表現……………	204
正規表現を含む高度な検索機能と REST API……………	224
正常組織における遺伝子発現データを 調べる……………	142
生体高分子の立体構造情報を取得する ……………	128
生体高分子の立体構造を見る……………	128
生物学的活性を調べる……………	158
生物種間の機能を比較する……………	146
生物種の情報と系統の階層関係を 表示する……………	120
生物種名、プロジェクトコードなどから ゲノム配列情報を検索する……………	70
生物種やカテゴリを選択してデータベ ースを絞り込む……………	54
生物種や組織ごとにmiRNAを検索する ……………	86
生命科学系データベースアーカイブ ……………	225
生命科学分野のイラスト集を閲覧する ……………	226
生命科学分野の有用なデータベースや ウェブツールの使い方を知る……………	48
世界中のウェブサイトをキーワードから 網羅的に検索する……………	51
世界地図からゲノムプロジェクト情報を 検索する……………	70
積分……………	210
セマンティックWeb技術 ……………	68, 76, 220, 224
全国の大学図書館等の図書館を検索する ……………	192
染色体の特定領域から存在する遺伝子を 調べる……………	80

全体検索のAPIを利用する……………	162
専門語の訳語(日英)を調べる……………	200
専門語の発音やスペル、よみを調べる ……………	200
専門語の類義語や概念ツリーを調べる ……………	200
専門分野別の学会一覧を表示する…	238
相互作用ネットワーク……………	132
相互作用ネットワークを解析する…	132
創薬・疾患に関連したデータベースを 横断検索する……………	60
測定手法による遺伝子発現量の差異を 比較する……………	142
組織特異的遺伝子……………	142
組織におけるタンパク質発現データと 遺伝子発現(RNA-seq)データの比較 をする……………	144
た	
大学図書館の所蔵図書が地域別でわかる ……………	192
大規模プロジェクトを一覧する……………	72
代謝パスウェイ……………	134
大量に発現する遺伝子群のコドン使用に 合わせ遺伝子発現を最適化する…	118
対話的に配列を取捨選択する……………	106
タグ……………	54
多重配列アラインメント……………	108
多重配列アラインメントに基づいた 系統樹を簡単に作成する……………	108
多様な遺伝子セットにより遺伝子セット 解析する……………	154
多様な遺伝子セットを検索する……………	154
タンパク質間相互作用……………	132
タンパク質間相互作用を検索する…	130
タンパク質ターゲットを調べる……………	156
タンパク質とリガンドの相互作用を見る ……………	128
タンパク質発現情報……………	144
逐次的……………	204
注目される分野・学問領域についての最 新の総説を日本語で読む……………	198
調査対象遺伝子(群)と同様の機能を もった遺伝子を調べる……………	146
調査対象遺伝子(群)の生物学的・ 分子学的特徴を調べる……………	146
著作権……………	199

ディープウェブ…………… 58
 データセットを解析する…………… 214
 データセットのクレンジング…………… 214
 データセットを変換する…………… 214
 データのRDF化とSPARQL検索 …… 224
 データのフィルター/ファセット機能
 ……………… 214
 データベースエントリーID間の
 リンク探索…………… 68
 データベース横断的なアノテーションを
 取得する…………… 220
 データベースサイトの最新の稼動状況を
 確認する…………… 54
 データベース中の類似配列から機能を
 推定する…………… 97
 データベースの情報…………… 54
 データベースのスナップショットを
 リリースする…………… 224
 データベースを直接利用して大規模デー
 タに応用する…………… 62
 データ分析…………… 212
 テキスト比較ツール…………… 208
 デフォルトでは表示されていない情報を
 Trackとして自由に追加表示する
 ……………… 65
 デュ77 (diff)…………… 208
 電子辞書…………… 200
 転写開始点とプロモータ…………… 31
 転写開始領域…………… 32
 動画…………… 48
 統計解析…………… 212
 統合DB講習会…………… 43
 統合TV…………… 64
 統合TVチャンネル…………… 50
 統合データベースプロジェクト…………… 13
 投与個体の毒性データ、病理所見や病理
 画像も整備されている…………… 160
 トキシコゲノミクス…………… 160
 特異性の高いガイドRNAを設計する
 ……………… 114
 毒性情報…………… 160
 特定のGO termに対応づけされた遺伝子
 を調べる…………… 80
 特定のゲノム領域に位置するmiRNAを
 検索する…………… 86
 特定のデータベースを固定して検索する
 ……………… 60

特定の表現が使われている文献を
 検索する…………… 204
 特許…………… 56, 189
 特許検索…………… 53
 ドットプロット…………… 107
 トップジャーナル…………… 198
 特許を検索する…………… 51
 トップジャーナルに掲載された日本人の
 論文の解説を日本語で読む…………… 198
 どの環境にどのような遺伝子が多いかを
 調べる…………… 76
 どの環境にどのような系統が多いかを
 調べる…………… 76
 どの系統がどの培養条件で育つかを
 調べる…………… 76
 ドメイン…………… 126
 トランスクリプトーム…………… 32
な
 名寄せ…………… 57, 214
 二次構造安定性など幅広いニーズにも
 対応…………… 110
 日本語入力対応…………… 58
 日本語Webコンテンツ…………… 198
 日本の学術論文を探す…………… 192
 入力したタンパク質(アミノ酸)配列が
 もつタンパク質ファミリー、ドメイン、
 モチーフの情報が統合されており、一
 度に調べられる…………… 126
 任意のウェブサイトへ埋め込む…………… 224
 任意のゲノム領域のゲノム配列やcDNA
 配列、アミノ酸配列情報をGUIで取得
 する…………… 65
 ネットストーキング…………… 45
 ネットワーク解析…………… 212
 乗り換え案内…………… 51

は
 パーソナルゲノム…………… 13
 バイオインフォマティクス全般について
 質問(回答)する…………… 170
 バイオデータベースのIDに関連する
 アノテーションを取得する…………… 220
 バイオリソース…………… 162
 バイオリソースを使った成果論文を
 登録する…………… 162

バイオリソースを使った論文情報から
 リソースを探す…………… 162
 配列アライメントで類似度を確認する
 ……………… 97
 配列情報…………… 42
 配列類似性検索…………… 44, 97
 パスウェイ…………… 212, 213
 パスウェイデータベース…………… 134
 パスウェイを自動レイアウトする…………… 212
 パスウェイ、ネットワークデータを
 可視化する…………… 212
 反応速度定数…………… 136
 比較した結果を保存して共同研究者に
 送る…………… 208
 被引用情報…………… 189
 非コードRNA…………… 31, 84
 ビッグデータ…………… 12
 ヒト疾患の特徴の比較を行う…………… 148
 ヒトとヒト以外のモデル生物間で
 パスウェイを比較する…………… 134
 ヒトの疾患について原因領域や原因遺伝
 子との関連を知る…………… 148
 ヒトの疾患や疾患関連遺伝子に関する
 情報を得る…………… 148
 ヒトの正常組織およびがん組織、細胞株
 におけるタンパク質の発現データを
 調べる…………… 144
 ヒト白血球抗原…………… 179
 ヒトやメジャーなモデル生物のみならず、
 ゲノム配列決定が進められ配列情報が
 公開されているすべての生物に対して、
 さまざまなレベルでゲノムアノテーシ
 ョン情報を利用する…………… 65
 ヒトを中心としたパスウェイ情報を
 可視化する…………… 134
 微分する…………… 210
 表形式のデータをデータベースとして
 公開する…………… 224
 標的遺伝子に特異的なsiRNA/shRNAを
 設計する…………… 112
 病理画像…………… 160
 ファイルを共有し共同編集する…………… 206
 ファセット…………… 60
 ファセット機能…………… 214
 ファセット検索…………… 68
 ファセットを組み合わせて、興味ある
 データベースを絞り込める…………… 60
 ファミリー…………… 126

フィルターによる絞込検索	124
複数エントリのアノテーションを一度に取得する	220
複数のツールを順序建てて解析を行うワークフローを作成する	178
複数の端末間で文献ライブラリを同期する	194
ブラウザ上でファイルを作成する	206
プレゼンテーションで用いたスライドを簡単にアップロードする	228
プログラムのソースコードや実験データなどの比較にも役立つ	208
プロジェクトに由来するデータを取得する	72
プロジェクトの種類を絞って検索する	72
プロジェクトを検索する	72
文献	56
文献管理	194
文献管理ツールに検索結果を書き出す	192
文献情報	202
文献ライブラリ中の全文検索	194
文献を個人ライブラリに収集・分類する	194
文献を他者と共有する	194
文献PDFファイルを収集・分類する	194
ベクター由来の配列を検索する	97
ベクタ画像	226
別名・同義語をまとめて検索する	56
編集	199
方程式を求解する	210
豊富な外部サイトへのリンクで、文献全文情報等へリンクする	56
他のデータベースと自分のデータの接続	214
募集期間	234
哺乳類細胞で活性の高いsiRNA/shRNAを設計する	112
本文PDFを読める文献を見つける	192
翻訳最適化	118

ま

マッピング	100
マルチプルアラインメント	104, 116, 124

マルチプルアラインメントを作成する	106
マルチプルシーケンスアラインメント	104
ミスマッチや挿入欠失を許容した検索	102

名称・配列・アクセション番号・キーワードからmiRNAを検索する	86
メタゲノム	76
メタゲノム配列からの生物種の組成を解析する	120
メタデータ	44, 60, 70, 138
メタデータの利用によりデータベースの概要やデータの情報を得る	60
メディシナルケミストリ論文を調べる	156
免疫蛍光染色	144
免疫組織化学染色	144
モチーフ	126

や

薬剤や病理所見名などの条件から、対象となるデータを絞り込む	160
薬剤を暴露した肝臓・腎臓・肝細胞の遺伝子発現情報を入手する	160
用例	204

ら

ライフサイエンスQA	44
ライフサイエンス統合データベースセンター	43, 48, 142
ライフサイエンス、疾患の同義語辞書を使用して検索する	60
ラスト画像	226
理研BRC	164
リシーケンス	176
立体構造決定の実験情報を取得する	128
立体構造データを登録する	128
略語	202
領域融合レビュー	43
類義語	200
類似語や翻訳語、関連遺伝子を提案する	58
類似性に基づいて入力データをだまかに分割する	106
レファレンス情報	196

論文執筆	206
論文に掲載されているIDで遺伝子発現データを取得する	138
論文の被引用情報を取得する	189
論文用レファレンスを作成する	194

欧文

A

Adobe Illustrator形式のファイルをダウンロードする	226
aLeaves	106
Altmetrics	228
API	222
App (プラグイン) により機能を追加する	212
Archaeopteryx で系統樹を表示する	106
ARSA キーワード検索システム	104
Assay	158
ATCC	164

B

BigBED	63
BigWig	63
BioGPS	80, 82
BioGRID	132
BioLayout	34
Biological Process	146
BioProject	72
BioStar	170
BLAST	97, 121, 124
BLASTによる配列相同性検索	124
BLAT	100
BLAT等のツールをGUIで操作しブラウザと連携させる	62
BodyParts3D	33
Bowtie	37
BWA	37

C

CAGE	31
Cellular Component	146
CentroidFold	94
ChEMBL	156

ChIP-Seq 38
 CiNii Articles 192
 CiNii Books 192
 clan..... 84
 CLUSTALやMAFFT等で作成した多重配列アラインメントを簡単に可視化する 108
 Clustal Omega 104, 124
 ClustalW 104
 ComparNA 94
 Creative Commons 174, 199, 226, 229
 CRISPR/Cas9システム 114
 CRISPRdirect 114
 Cufflinks 37

D

Database of Genomic Variants ... 180
 DAVID 152
 DBアーカイブ 14
 DBカタログ 14
 DBCLS **43**, 140
 DBCLS SRA 17
 dbSNP 181
 DDBJ 17, 173
 DDBJデータをBLAST検索する ... 116
 DDBJデータをキーワード検索する 116
 DDBJの登録フォーマットで出力する 176
de novo アセンブリ **37**, 176
 DESeq 37
 diff (ディフ) 208
 DNA塩基配列のマルチプルアラインメント 104
 DNA配列の相同性からパイオリソースを探す 162
 Drugs 156
 DSMZ 164

E

eラーニング教材 233
 EBI **17**
 ECACC 164
 EC番号 136

EdgeR..... 37
 ENA **18**
 ENCODEプロジェクト 65
 EndNote Web 194
 Ensembl 216
 Entrez 120
 Entrezデータベース関連リソースを確認する 120
 evidence code 146

F

FANTOM 30
 FASTA 97, 223
 fRNAdb 92

G

Galaxy 178
 GEM 38
 GenBank **18**
 Gene Ontology 146
 Genetic codeを確認する 120
 GGGenome 100, 102
 GGGenomeを利用したゲノム配列検索 68
 GGRNA 78
 GO termおよびパスウェイ情報から遺伝子を分類する 152
 GOLDデータベース上に登録されている生物種のゲノム解読プロジェクト情報およびメタデータを閲覧する 70
 Googleアカウント 206
 Googleドライブ 206
 Google検索 51
 GRCh37..... 62
 GRCh38..... 62
 GUIベースの操作で遺伝研(NIG)スパコンを活用した高速解析 176
 GWASにおける対照群・インビュテーション参照パネルとして利用する 180

H ~ **J** · **L**

hg19 62
 hg38 62
 HOMER 38

Human Genetic Variation Browser 181
 INSDC 17
 Integrative Japanese Genome Variation Database 181, 182
 International HapMap project ... 181
 Jalview上でアラインメントを視覚的にチェックする 106
 JCRB 164
 LAST 107
 LinkOut 163

M

MACS 38
 MAFFT 106
 MapSplice 37
 MEME 38
 Mendeley 194
 MeSH 149, 186
 MeSHキーワード集を用いて論文を検索する 186
 mfold 94
 MicrobeDB.jp 76
 microRNA 86, 88
 miRBase 86
 miRNA 86, 88
 miRNAのアノテーションを参照する 86
 miRNAのクラスターおよびファミリーを検索する 86
 miRNAの標的を予測する 88
 miRNA配列データをダウンロードする 86
 miRNA標的予測ウェブサイト 88
 mmCIF 129
 MOCCS 38
 Molecular Function 146
 Molmil 129
 MXSCARNA 92

N

NCBI **17**
 NBRP 162
 NBRPの全リソース情報を閲覧する 162

NCBI Taxonomy 120
 NCBI, EBI, UniProt, DDBJ, KEGG, PDB, UCSCなど主要な公共データベースを利用する 222
 NGS 17, 36, 173
 NGSデータのマッピング用ツールを使う 178
 NGSで疾患原因変異候補を絞り込む 180
 NGSにまつわる疑問について質問(回答)する 170
 NGSにまつわる疑問について情報を得る 170
 NGSリードの品質スコア再補正に利用する 180
 NGS Surfer' s Wiki 170
 NGS現場の会 41
 NIH Heart, Lung and Blood Institute Grand Opportunity Exome Sequencing Project 181

O

Oases 37
 OMIMに記載されたヒト疾患や疾患関連遺伝子についての特徴プロファイルを得る 148
 One Codex 121
 OpenRefine 214

P・Q

PANTHER 152
 Papers 194
 PCRプライマー 110
 PCRプライマー設計の候補を検索する 97
 PCRプライマー設計の際、その生物種のコードン使用により最適化する 118
 PCRプライマーを設計する 110
 PC環境構築 49
 PDBj 128
 PDBML 129
 PGDBj 74
 Plant Genome DataBase Japan 74
 PNG形式の画像ファイルをダウンロードする 226
 PPI 130
 PubChem 158

PubMed/MEDLINE 202, 204
 PubMedの論文(ATCC, 理研BRC)やNucleotideデータベース(ATCC)からリソース情報にアクセスする 164
 PubMedやPMCでカバーしない生命科学系以外の論文や特許情報も含めて文献検索を行う 189
 Python, Perl等のプログラム言語, シェルスクリプト等で自前のツールを作成, 共有する 178
 Q&Aサイト 170

R

RNA構造モチーフ抽出 92
 RNAデータベースとゲノムブラウザ 92
 RNAの構造モチーフを抽出する 92
 RNAの二次構造予測 92, 94
 RNAの配列・構造アラインメント 92
 RDF 15, 202, 215
 RDFデータを適切に可視化して表示する 68
 RefSeq 78
 REST 116
 RNAmine 92
 RNAseq 36, 65, 66, 177
 RSEM 37
 Ruby 64

S

SEQanswers 170
 SlideShare 228
 SNP 177
 SPARQL 221
 SRA 20, 173
 SSEARCH 97
 SSTAR 33
 SVG形式のファイルをダウンロードする 226

T

TET 34
 Tm値 110
 Tm値やオリゴ長など細かな設定する 110

TogoDB 224
 TogoDoc 194
 TogoGenome 68
 Togo Picture Gallery 43
 TogoWS 64, 222
 Togo WS REST 214
 TopHat 37
 Trinity 37
 twitter 44

U

UCSC 223
 UCSCゲノムブラウザ 34, 62
 UMIN 236, 238
 UniProt 124
 URLや運用機関などのデータベースの基本情報を確認する 54

W・Y・Z

WABI 104, 116
 Web API 116
 Wikipedia 82, 84
 wwPDB 128
 YouTube 50
 ZENBU 34
 Zotero 194