

索引

数字

1塩基多型	48
1型アレルギー	153, 154
2-ヒドロキシグルタル酸	103
2-HG	103
3C	103
4C	103
5-ヒドロキシメチルシトシン	53, 56
5-メチルシトシン	56
5hmC	56
5mC	56
5-methylcytidine	122

和文

あ	
アセチル化	33
アッセイ標準化	33
アルツハイマー病	196
アルドステロン	129
アレルギー	153, 154, 155, 156
アンジオテンシノーゲン	132
胃がん	86
維持メチル化機構	7, 84, 86
遺伝性要因	164
易罹患性	49
イレイサー	185
インスリン抵抗性	124, 125, 126
インスリン分泌	124, 125, 126
インフォームドコンセント	23
インプリント遺伝子	121
エピゲノム創薬	9
エピゲノム発がん	116, 118
エピゲノム変化	71
エピゲノムマッピング	45
エピゲノムワイド関連解析	7
エピジェネティクス	3

エピジェネティクス機構	108
エピジェノタイプ	93
エンハンサー	65
オーロラキナーゼ	89
か	
階層的クラスタリング	86
書き込み酵素	185
獲得形質の遺伝	160
化合物スクリーニング	9
がん	7
がんエピゲノム	114
環境因子	153, 154, 156
環境エピゲノム変化	160
環境エピゲノム変化の遺伝	160
環境ストレス	72
環境性要因	164
環境要因	71
がん細胞におけるエピゲノム制御	114
肝組織	45
感度	108
喫煙	160
急性腎障害	130
虚血	130
近位尿細管細胞	131
グリア細胞	159
グリア瘢痕	191
グリオプラストーマ	101
グルココルチコイド受容体	160
クロスリンク	34
クロマチン状態	65
クロマチンの断片化	34
クロマチン免疫沈降-シークエンシング	84
蛍光共鳴エネルギー移動	182
血管内皮細胞	64
欠失挿入型多型	48
ゲノムインプリンティング	157

ゲノム研究用病理組織検体取扱い 規程	85
ゲノムコホート	80
ゲノム多型	80
膠芽腫	101
抗腫瘍免疫	145, 146, 149
高速液体クロマトグラフィー	175, 176, 177
抗体	35
抗体の特異性	35
国際ヒトエピゲノムコンソーシアム	4, 18, 44, 84
個体差	44, 47
コピー数多型	49
コンソーシアム	18
コンパニオン診断	88
さ	
再生医療	9
細胞移植	193
細胞外小胞	122
細胞組成	78
細胞フリーDNA	169
細胞補充療法	193
サロゲート	78
サンプルの冗長性	66
資金提供機関	20, 21, 22
軸索再生	191
軸索再生関連遺伝子	192
軸索伸長阻害因子	191
始原生殖細胞	51
自己免疫疾患	145, 146, 147, 149
次世代シークエンサー	140, 141, 143
自然免疫記憶	74
疾患特異的エピゲノムプロファイル	3
シトシンメチル化	125, 126
自閉症スペクトラム	164

- 自閉症スペクトラム障害…………… 157
 収集プロトコル…………… 79
 主成分分析…………… 86
 受動的な脱メチル化…………… 57
 腫瘍免疫…………… 145, 146, 149
 純化細胞…………… 45
 消去酵素…………… 185
 冗長度…………… 65
 小分子RNA …… 122
 初期化4因子…………… 113, 114
 食塩感受性高血圧…………… 129
 心筋再生…………… 199, 202, 203, 204
 心筋増殖…………… 199, 201, 202, 204
 心筋直接誘導…………… 203, 204
 神経幹細胞…………… 193
 神経再生…………… 193
 神経細胞…………… 143, 144
 神経疾患…………… 8
 神経伝達…………… 142, 143
 神経伝達物質…………… 141, 143, 144
 神経発達…………… 142, 143, 144
 人工多能性幹細胞…………… 190
 腎細胞がん…………… 88
 心臓発生…………… 199, 200, 201, 202, 204
 スクリーニング…………… 178, 179, 180, 181, 183
 ストレス応答性リン酸化酵素p38…………… 72
 スピンドルチェックポイント…………… 88
 制御性T細胞…………… 145
 精原幹細胞…………… 52
 精神神経疾患…………… 195
 精神ストレス…………… 73
 脊髄損傷…………… 191, 193, 197
 世代間…………… 119
 世代間エピジェネティクス…………… 121
 セロトニン…………… 134, 136, 137, 138, 139
 セロトニントランスポーター…………… 136, 138, 139
 前がん段階…………… 7, 84
 全ゲノムバイサルファイト
 シークエンシング…………… 25, 84
 染色体不安定性…………… 96, 97
 先制医療…………… 161
 前精原細胞…………… 51
 双極性障害…………… 134, 135, 136, 137, 138
 双生児研究…………… 164
 層別化…………… 8, 84
 阻害剤…………… 185, 186, 187, 189
 ソフトインヘリタンス…………… 160
- た**
 第1コーディングエクソン…………… 46
 体外環境…………… 7
 胎児細胞フリーDNA …… 169
 代謝疾患…………… 8
 大腸がん…………… 95
 耐糖能異常…………… 121
 多型…………… 48
 多層オミックス解析…………… 88
 脱メチル化…………… 205
 脱メチル化薬…………… 205
 多様性…………… 3
 淡明細胞型腎細胞がん…………… 173, 175, 176
 データベース…………… 18
 データポータル…………… 49
 テモゾロミド…………… 104
 糖尿病性腎症…………… 132
 東北メディカル・メガバンク計画…………… 80
 特異度…………… 108
 ドライバー変異…………… 183
 トラック情報…………… 38
- な**
 内因性のレトロウイルス…………… 209
 ナショナルセンター
 バイオバンクネットワーク…………… 85
 妊婦用ビタミン剤…………… 165
 ヌクレオソーム再構成…………… 18
 脳検体…………… 142, 143
 脳神経系発達…………… 142
 脳神経発達…………… 142, 144
 脳組織…………… 142, 143
 能動的な脱メチル化…………… 57
- は**
 バイアス…………… 78
 バイアブルイエローアグーチマウス…………… 53
 バイオニア転写因子…………… 204
 バイオバンクジャパン…………… 85
 バイオマーカー…………… 84, 107
 バイサルファイト処理…………… 25
 ハイスループットスクリーニング…………… 180
 胚性幹細胞…………… 23, 60, 190
 肺腺がん…………… 87
 胚体外組織…………… 60
 パキテ時期…………… 52
 バルプロ酸…………… 194
 非CpGメチル化…………… 46
 ヒストンアセチル化…………… 179, 183, 186, 188, 192
 ヒストンH3K9ジメチル化酵素G9a…………… 74
 ヒストン修飾…………… 18, 33, 47, 64, 190, 191
 ヒストン修飾解析の標準化…………… 33
 ヒストン修飾酵素…………… 159
 ヒストン脱アセチル化酵素…………… 128, 188, 192
 ヒストンメチル化…………… 179, 181, 182, 186
 ヒドロキシメチルシトシン…………… 85
 表現型…………… 49
 病原体感染…………… 74
 標準エピゲノムプロファイル…………… 18
 標準エピゲノムマッピング…………… 45
 ピロリ菌…………… 92
 プロモドメイン…………… 189
 ベースライン調査…………… 80
 ヘテロクロマチン…………… 72
 ヘルパーT細胞…………… 145, 146, 147, 148, 149
 膀胱がん…………… 107
 膀胱がん診断…………… 107
- ま**
 マイクロサテライト不安定性…………… 93, 95, 97
 前向きコホート研究…………… 80
 マクロファージ…………… 74
 末梢試料…………… 143

末梢組織…………… 142, 143
 マッピング…………… 36
 慢性腎臓病…………… 130
 メタデータ…………… 40
 メタボリックシンドローム…………… 119
 メタボリックメモリー…………… 124, 132
 メチル化…………… 33, 96, 97, 98, 99
 メチル化アレイン…………… 77
 メチル化可変領域…………… 166
 メチル化シトシン…………… 158
 メチル化量の形質座位…………… 48
 メチローム…………… 26
 免疫疾患…………… 8

や

読み取りタンパク質…………… 189

ら

ライター…………… 185
 リーダー…………… 189
 リード数…………… 36
 リジン脱メチル化酵素…………… 188
 リジンメチル基転移酵素…………… 186
 リファレンスエピゲノム…………… 3
 リプログラミング…………… 19, 51, 113, 114, 115, 116, 123
 倫理委員会…………… 23
 ルイセンコ説…………… 71
 レジスチン…………… 126
 レトロトランスポゾン…………… 53

欧 文

A · B

active demethylation…………… 57
 AD…………… 196
 Alzheimer disease…………… 196
 Angelman 症候群…………… 165
 ASD…………… 164
 ATF2 ファミリー転写因子…………… 71
 ATF7…………… 73
 autism spectrum disorders…………… 164
 azacitidine…………… 205, 207
 Barker 仮説…………… 120

BBJ…………… 85
 BDNF…………… 134, 135, 138, 139
 BET 阻害剤…………… 106
 Biobank Japan…………… 85
 Bismark…………… 29
 Blueprint…………… 4
 bowtie2…………… 41
 BRD4…………… 105
 BRD タンパク質…………… 189
 BRD タンパク質阻害剤…………… 188, 189
 BWA…………… 41

C · D

cell free DNA…………… 169
 cfDNA…………… 169
 ChIA-PET 解析…………… 68
 ChIP-seq…………… 32, 65, 84
 CIMP…………… 88, 96, 97, 98, 99, 173, 175
 CIMP 陽性がん…………… 173
 CIN…………… 96, 97, 99
 CpG…………… 125, 126
 CpG アイランド…………… 88
 CpG アイランドメチル化形質…………… 88, 96, 97, 173
 CpG island methylator phenotype…………… 173
 cross-correlation plot…………… 66
 CTCF…………… 103
 CTCF 結合領域…………… 61
 Data Coordination Center…………… 22
 Data Portal…………… 38
 DCC…………… 22
 decitabine…………… 205, 207
 deletion…………… 48
 differentially methylated cytosines…………… 31
 differentially methylated regions…………… 31, 166
 diffuse intrinsic pontine glioma…………… 102
 DIPG…………… 102
 DMCs…………… 31
 DMRs…………… 31, 166
 DNA 脱メチル化…………… 7
 DNA マイクロアレイ…………… 77

DNA メチル化…………… 18, 25, 51, 84, 91, 92, 93, 94, 96, 97, 98, 99, 123, 124, 125, 126, 147, 148, 149, 150, 154, 155, 172, 173, 174, 175, 177, 186, 190, 197
 DNA メチル化異常…………… 108
 DNA メチル化酵素…………… 86
 DNA メチル化マーカー…………… 107
 DNA メチル基転移酵素…………… 186
 DNMT…………… 186
 DNMT1…………… 86
 Dnmt2…………… 122
 Dnmt3a…………… 52
 Dnmt3L…………… 52
 DNMT 阻害剤…………… 186, 187
 DOHaD…………… 120
 DROMPA…………… 69

E ~ G

EBV…………… 93
 EBV 陽性胃がん…………… 93, 94
 edgeR…………… 41
 embryonic stem cells…………… 60, 190
 ENCODE…………… 4
 ENCODE consortium…………… 65
 epididymosome…………… 122
 epigenome-wide association study…………… 7
 Epstein-Barr ウイルス…………… 93
 ES 細胞…………… 60, 190
 ESET…………… 73
 EWAS…………… 7
 EXEC…………… 22
 EZH2…………… 105
 FRET…………… 182, 183
 Funding Members…………… 22
 G9a…………… 74
 GBM…………… 101
 GC 含量…………… 66

H · I

H3.1…………… 103
 H3.3…………… 103
 H3F3A の変異…………… 102
 H3K9 トリメチル化酵素 ESET…………… 73

- HDAC 129, 130, 131, 133, 179, 188, 192
- HDAC 阻害剤 188
- HDAC 阻害薬 130
- Helicobacter pylori* 92
- heterogeneity 84
- HINT 法 193, 194
- HIST1H3B* の変異 102
- HIST1H3C* の変異 102
- histone deacetylase 192
- HMT 181
- HPLC 175, 176, 177
- HTS 180
- IAP 53
- ICR 52
- IDAX* 57
- IDH1 変異阻害剤 104
- IDH* 遺伝子 102
- IDH* 変異 103
- IHEC 4, 18, 33, 44
- IHEC Executive Committee 22
- imprinting control region 52
- indel 48
- induced pluripotent stem cells 190
- insertion 48
- International Human Epigenome Consortium 4
- International Scientific Steering Committee 22
- intracisternal A particle 53
- iPS 細胞 158, 190, 194, 196, 197
- IRAK3* 111
- ISSC 22
- J ~ N**
- JMJD3 阻害剤 105
- JSON 40
- KDM 阻害剤 187, 188
- KMT 186
- KMT 阻害剤 186, 187
- LAST 29
- LINE-1 110
- long interspersed nuclear elements 110
- m²G 122
- m⁵C 122
- MECP2* 195
- MeCP2 159, 196
- MET* 110
- methylation quantitative trait locus 49
- methyl-CpG binding protein 2 195
- MethylC-Seq 法 26
- MGMT* 104
- microRNA 190, 191
- microsatellite instability 93
- miRNA 190, 191
- mQTL 49
- MSI 93, 96, 97, 98, 99
- MVPs 77
- N²-methylguanosine 122
- National Center Biobank Network 85
- NCBN 85
- P · R**
- Pash 41
- passive demethylation 57
- Paul Kammerer 71
- PBAT 28
- PBAT 法 6, 45
- PCR bias 66
- pDMR 47, 48
- personal differentially methylated region 47
- piRNA 52
- poised gene 60
- post-bisulfite adaptor tagging 28
- post-bisulfite adaptor-tagging 法 6, 45
- Prader-Willi 症候群 165
- RAGs 192
- reduced representation bisulfite sequencing 59
- regeneration-associated genes 192
- relative strand correlation 66
- Rett 症候群 159, 165, 195
- RhoA 191
- Roadmap 4
- Roadmap Epigenomics Consortium 65
- RPKM 41
- RPKM 値 47
- RRBS 59
- RTT 195
- S · T**
- scBS-Seq 法 29
- sensitivity 108
- serrated pathway 99
- single nucleotide variation 48
- SMART 技術 29
- S/N 比 65
- SNORD115* 遺伝子 167
- SNV 48
- SOX1* 111
- specificity 108
- TELP 法 29
- ten eleven translocation 53, 56
- TET 56
- Tet 53
- TET2 206
- Track Hub 40
- Treg 145, 146, 148, 149, 150
- trimmed mead of M values 41
- tRNA 119
- U ~ X**
- UHRF1 57
- valproic acid 194
- VCF 43
- VPA 194, 196
- WGBS 25, 84
- whole-genome bisulfite sequencing 84
- X 染色体不活化 158