

索引

数字

| | |
|----------------------|----------|
| 1,3-ビスホスホグリセリン酸 | 96 |
| 2-ホスホグリセリン酸 | 96 |
| 2-メルカプトエタノール | 29, 40 |
| 3-ケトアシル CoA | 140 |
| 3-ヒドロキシアシル CoA | 140 |
| 3-ホスホグリセリン酸 | 96 |
| 3' → 5' エクソヌクレアーゼ活性 | 175 |
| 3' プロセシング | 197, 200 |
| 3' プロセシング因子 | 200 |
| 3' 末端 | 47 |
| 5-フルオロウラシル | 170 |
| 5-ホスホリボシル 1-アミン | 164 |
| 5-ホスホリボシル 1-ピロリン酸 | 163 |
| 5' → 3' DNA ポリメラーゼ活性 | 175 |
| 5' → 3' エクソヌクレアーゼ活性 | 176 |
| 5' → 3' 方向 | 47 |
| 5' 末端 | 47 |

ギリシャ文字

| | |
|--------------------------|----------|
| α (1 → 4) グリコシド結合 | 101 |
| α (1 → 6) グリコシド結合 | 101 |
| α アミノ酸 | 23 |
| α -ケトグルタル酸 | 113, 156 |
| α -ケト酸 | 156 |
| α 体 | 61 |
| α 炭素 | 23 |
| α ヘリックス | 31 |
| β 酸化 | 140 |
| β シート | 31 |
| β 体 | 61 |
| β 炭素 | 23 |
| γ 炭素 | 23 |
| ΔG | 76 |
| ΔG^\ddagger | 77 |
| ΔG° | 77 |
| ρ 依存性終結 | 191 |
| ρ 非依存性終結 | 191 |

欧文

A

| | |
|-----------|-----|
| ABO 血液型 | 66 |
| ACP | 142 |
| AMP | 164 |
| AP 部位 | 181 |
| ATP | 90 |
| ATP シンターゼ | 119 |
| A 型 DNA | 50 |
| A 部位 | 213 |

B, C

| | |
|-------------------|----------|
| B 型 DNA | 49 |
| Ca ²⁺ | 227 |
| cAMP | 105, 227 |
| cAMP 依存性タンパク質キナーゼ | 105, 229 |
| CoA | 94 |
| CoQ | 117 |
| C 値のパラドックス | 172 |
| C 末端 | 27 |

D

| | |
|---------------------|--------|
| <i>de novo</i> 合成経路 | 163 |
| DL 表記法 | 60 |
| DNA | 47 |
| DNA 組換え | 184 |
| DNA グリコシラーゼ | 183 |
| DNA 修復 | 181 |
| DNA 損傷 | 181 |
| DNA の基本構造 | 47 |
| DNA の二重らせん構造 | 48 |
| DNA 複製 | 174 |
| DNA ヘリカーゼ | 177 |
| DNA ポリメラーゼ | 174 |
| DNA ポリメラーゼ I | 175 |
| DNA ポリメラーゼ II | 175 |
| DNA メチル化 | 196 |
| DNA リガーゼ | 178 |
| <i>Dscam</i> 遺伝子 | 199 |
| D 体 | 23, 60 |

E, F

| | |
|-------------------|-----|
| E°' | 116 |
| EF ハンド | 35 |
| EGF 受容体 | 232 |
| FADH ₂ | 92 |
| FRAP | 71 |

G

| | |
|-----------------|-----|
| GMP | 164 |
| GTP アーゼ活性化タンパク質 | 228 |
| G タンパク質 | 228 |
| G タンパク質共役受容体 | 228 |

H

| | |
|----------------|----------|
| HDL | 136 |
| HMG CoA | 149 |
| HMG CoA レダクターゼ | 149, 151 |

I

| | |
|-----------------|-----|
| IMP | 164 |
| <i>in vitro</i> | 17 |
| <i>in vivo</i> | 17 |

K

| | |
|-----------|----|
| k_{cat} | 78 |
| K_m | 84 |
| k_{un} | 78 |

L

| | |
|-----------------|--------|
| <i>lac</i> オペロン | 191 |
| LDL | 136 |
| L 体 | 23, 60 |

M

| | |
|----------|---------|
| MAP キナーゼ | 232 |
| miRNA | 204 |
| mRNA | 54, 188 |
| mRNA 監視 | 204 |

N, O

| | |
|--|---------|
| Na ⁺ /K ⁺ -ATP アーゼ | 74 |
| NADH | 92 |
| NADPH | 94, 108 |
| NMR | 42 |
| N-アセチルガラクトサミン | 62 |
| N-アセチルグルコサミン | 62 |
| N-アセチルグルタミン酸 | 162 |
| N 結合型の糖鎖 | 66, 220 |
| N 末端 | 27 |
| O 結合型の糖鎖 | 66, 220 |

P, Q

| | |
|------|-----|
| P680 | 129 |
| P700 | 131 |

| | | | | | |
|--------------------|--------------|------------------|----------|---------------------------|----------|
| PCR | 56 | アクチベーター | 191 | イオン交換クロマトグラフィー | 39 |
| PRPP | 163 | アクチン | 233 | イオンチャンネル型受容体 | 228 |
| P部位 | 213 | アコニターゼ | 113 | 異化 | 16, 90 |
| Qサイクル | 119 | アシルCoA | 140 | 鋳型鎖 | 188 |
| R | | | | | |
| RAS | 232 | アシル基 | 136 | イソクエン酸 | 113 |
| RNA | 54 | アシルキャリアタンパク質 | 142 | イソプレノイド | 151 |
| RNA干渉 | 203 | アスパラギン | 26 | イソプレノ単位 | 149 |
| RNAプロセッシング | 54, 197 | アスパラギン酸 | 26, 162 | イソペンテニルニリン酸 | 149 |
| RNA分解 | 202 | アセチルCoA | 109, 112 | インロイシン | 24 |
| RNA編集 | 201 | アセチルCoAカルボキシラーゼ | 143, 145 | 一次構造 | 31 |
| RNAポリメラーゼ | 188 | アデニル酸シクラーゼ | 229 | 遺伝暗号の縮重 | 208, 215 |
| RNAポリメラーゼI | 188 | アデニン | 44 | 遺伝暗号表 | 206 |
| RNAポリメラーゼII | 188 | アデノシン三リン酸 | 90 | 遺伝子 | 187 |
| RNAポリメラーゼIII | 188 | アドレナリン | 105 | イノシン5'-リン酸 | 164 |
| RNAワールド仮説 | 202 | アナボリズム | 16, 90 | イノシン酸 | 164 |
| rRNA | 54, 188, 209 | アニーリング | 55 | インスリン | 105 |
| S | | | | | |
| SDS | 40 | アノマー | 61 | インティン | 218 |
| SDSポリアクリルアミドゲル電気泳動 | 40 | アノマー炭素 | 61 | インデューサー | 192 |
| SH2ドメイン | 35 | アベリー | 53 | イントロン | 198 |
| SH3ドメイン | 35 | アポ酵素 | 81 | う | |
| siRNA | 204 | アミノアシルtRNA | 209, 213 | ウイルス | 12 |
| snRNA | 188 | アミノアシルtRNAシントターゼ | 209, 215 | ウィルヒョー | 20 |
| snRNP | 199 | アミノ基 | 23 | うま味 | 164 |
| SOS応答 | 184 | アミノ酸 | 23, 98 | ウラシル | 44 |
| T | | | | | |
| T2ファージ | 53 | アミノ酸代謝 | 154 | ウリジンニリン酸-グルコース | 101 |
| TATAボックス | 190 | アミノ酸プール | 154 | え | |
| TCAサイクル | 112 | アミノ糖 | 62 | エーテル型脂質 | 73 |
| tRNA | 54, 188, 209 | アミノ末端 | 27 | エキソン | 198 |
| U | | | | | |
| UMP | 166 | アミロース | 63 | エキソンシャッフリング | 199 |
| UDP-グルコース | 101 | アミロペクチン | 63 | エクステイン | 218 |
| UTPのアミノ化 | 166 | アラキドン酸 | 148, 149 | エタノール発酵 | 97 |
| V ~ Z | | | | | |
| VLDL | 136 | アラニン | 24 | エドマン分解 | 41 |
| X線結晶構造解析 | 42 | アリストテレス | 12 | エノイルCoA | 140 |
| Z型DNA | 50 | アルギニノコハク酸 | 162 | エノイル基 | 140 |
| Z機構 | 129 | アルギニン | 26, 162 | エピジェネティック (後成遺伝学的) な継承 | 196 |
| 和文 | | | | | |
| あ | | | | | |
| アイソアクセプターtRNA | 215 | アルコール発酵 | 97 | エピマー | 61 |
| 亜鉛フィンガー | 35 | アルドース | 58 | 塩基 | 44 |
| 悪玉コレステロール | 138 | アロステリックアクチベーター | 80 | 塩基除去修復 | 182 |
| | | アロステリックインヒビター | 80 | 塩基対 | 48 |
| | | アロステリック調節 | 38, 80 | エンハンサー | 193 |
| | | アロステリック部位 | 80 | お | |
| | | アンチコドン | 209 | 横断拡散 | 71 |
| | | アンテナ複合体 | 128 | オートファジー | 157, 222 |
| | | 暗反応 | 124, 133 | 岡崎フラグメント | 178 |
| | | アンフィンセンのドグマ | 28 | オキサロ酢酸 | 98, 112 |
| | | アンモニア | 158 | オパールン | 14 |
| | | アンモニア排泄性 | 160 | オペレーター | 192 |
| | | い | | オペロン | 191 |
| | | イオン結合 | 30 | オペロン説 | 191 |

| | | | | | |
|--------------|----------|-----------------|--------------|----------------|--------------|
| オリゴ糖 | 58 | 基質特異性 | 79 | グルコース 6-リン酸 | 96 |
| オリゴペプチド | 27 | キシルロース 5-リン酸 | 107 | グルコース輸送体 | 74 |
| オルガネラ | 21 | 奇数鎖脂肪酸 | 141 | グルコサミン | 62 |
| オルニチン | 162 | キチン | 63 | グルタミン | 26 |
| オロチジン 5'-リン酸 | 166 | 基底状態 | 126 | グルタミン酸 | 26 |
| オロト酸 | 166 | 機能獲得型の変異 | 205, 233 | グルタミン酸デヒドロゲナーゼ | 158 |
| か | | | | | |
| 科 | 18 | 機能喪失型の変異 | 205 | クレブスサイクル | 112 |
| 界 | 18 | ギブズの活性化エネルギー | 77 | クロマチン | 52 |
| 外呼吸 | 15 | ギブズの自由エネルギー変化 | 76 | クロマチンリモデリング因子 | 193 |
| 開鎖複合体 | 190 | 基本転写因子 | 190 | クロマトグラフィー | 39 |
| 開始 tRNA | 212 | 逆転写酵素 | 181 | クロロフィル | 128 |
| 開始コドン | 207 | キャッピング | 197 | け | |
| 回転角 | 33 | キャップ依存的経路 | 212 | 蛍光退色回復法 | 71 |
| 解糖系 | 94 | キャップ構造 | 197 | ケトース | 58 |
| 界面活性剤 | 40 | キャップ非依存的経路 | 212 | ケト原性アミノ酸 | 158 |
| 化学シフト | 42 | 球状タンパク質 | 36 | ゲノム | 50, 172, 195 |
| 化学進化説 | 14 | 競合阻害 | 87 | 原核生物 | 18 |
| 鍵と鍵穴モデル | 79 | 鏡像異性体 | 60 | 原がん遺伝子 | 233 |
| 核 | 22 | 協同性 | 38 | 嫌気呼吸 | 96, 109 |
| 核局在シグナル | 217 | 共鳴エネルギー移動 | 127 | 顕微鏡 | 20 |
| 核酸 | 43 | 極性電荷アミノ酸 | 26 | こ | |
| 核酸塩基 | 44 | 極性無電荷アミノ酸 | 24 | コアクチベーター | 193 |
| 核磁気共鳴 | 42 | 筋収縮 | 233 | コア酵素 | 188 |
| 核小体 | 202 | < | | | |
| 核内ホルモン受容体 | 230 | グアニン | 44 | コアセルバート | 14 |
| 核膜孔 | 217 | グアニンヌクレオチド交換因子 | 228 | コアヒストン | 51 |
| 核様体 | 174 | クーロンの法則 | 30 | 綱 | 18 |
| カタボリズム | 16, 90 | クエン酸 | 112 | 高アンモニア血症 | 162 |
| 活性酸素 | 181 | クエン酸サイクル | 110, 112 | 高エネルギーリン酸結合 | 46, 91 |
| 活性部位 | 79 | 区分 | 16 | 抗がん標的 | 170 |
| 活動電位 | 234 | グラナ | 125 | 好気呼吸 | 96, 109 |
| カテコールアミン | 158 | グリコーゲン | 63, 101 | 抗原 | 38 |
| カテナン | 179 | グリコーゲンシンターゼ | 102, 105 | 光合成 | 124 |
| 下流 | 189 | グリコーゲン脱分枝酵素 | 103 | 光合成細菌 | 124 |
| カルシウムイオン | 227 | グリコーゲン分枝酵素 | 103 | 恒常性 | 16 |
| カルニチン | 139 | グリコーゲンホスホリラーゼ | 103, 105 | 校正活性 | 176 |
| カルバモイルリン酸 | 161, 165 | グリコゲニン | 101 | 構成的遺伝子 | 195 |
| カルビンサイクル | 124, 133 | グリコサミノグリカン | 65 | 酵素 | 78 |
| カルボキシ基 | 23 | グリコシド結合 | 62 | 構造異性体 | 58 |
| カルボキシ末端 | 27 | グリコシル化 | 219 | 酵素型受容体 | 230 |
| カルモジュリン | 228 | グリコシルトランスフェラーゼ | 220 | 酵素の反応速度論 | 83 |
| ガングリオシド | 69, 148 | グリシン | 24 | 抗体 | 38 |
| 還元 | 116 | クリステ | 111 | 高密度リポタンパク質 | 136 |
| 還元的合成 | 94 | グリセルアルデヒド | 58 | コエンザイム A | 94 |
| 還元糖 | 62 | グリセルアルデヒド 3-リン酸 | 96, 134 | コード領域 | 188, 207 |
| 環状 | 50 | グリセロール | 67, 98, 139 | コーンバーク | 174 |
| き | | | | | |
| 機械論 | 17 | グリセロリン脂質 | 68, 146 | 古細菌 | 18, 21 |
| 基質 | 78 | クリック | 47, 171, 215 | コザック配列 | 212 |
| | | グリフィス | 52 | コドン | 206 |
| | | グルカゴン | 105 | コハク酸 | 114 |
| | | グルコース | 61, 94 | コラーゲン | 36 |

| | |
|---------|---------|
| コラーナ | 206 |
| コリ・サイクル | 98 |
| コリプレッサー | 193 |
| ゴルジ体 | 217 |
| コレステロール | 70, 149 |
| コレラ毒素 | 230 |

さ

| | |
|------------|----------|
| 細菌 | 18, 21 |
| サイクリックAMP | 105, 227 |
| 再生 | 55 |
| サイトカイン | 224 |
| 再プログラミング | 196 |
| 細胞間のシグナル伝達 | 224 |
| 細胞呼吸 | 15 |
| 細胞質 | 21 |
| 細胞説 | 20 |
| 細胞内共生 | 135 |
| 細胞内共生説 | 51, 121 |
| 細胞内シグナル伝達 | 227 |
| 細胞内受容体 | 227, 230 |
| 細胞内小器官 | 21 |
| 細胞内輸送 | 218 |
| 細胞壁 | 21 |
| 細胞膜 | 21 |
| 細胞膜受容体 | 227 |
| 細胞老化 | 181 |
| サイレント変異 | 208 |
| サザン・プロット法 | 56 |
| サブユニット | 33 |
| サルベージ経路 | 163, 165 |
| 酸化 | 116 |
| サンガー法 | 56 |
| 酸化還元反応 | 116 |
| 酸化的経路 | 107 |
| 酸化的脱炭酸 | 112 |
| 酸化的リン酸化 | 111, 119 |
| 残基 | 27 |
| 三次構造 | 32 |

し

| | |
|----------|---------|
| ジアステレオマー | 60 |
| シグナル伝達 | 16, 75 |
| シグナル認識粒子 | 217 |
| シグナル分子 | 75, 224 |
| シグナルペプチド | 217 |
| 自己維持 | 16 |
| 自己複製 | 16 |
| 自己複製能 | 171 |
| 脂質 | 67 |
| 脂質修飾 | 221 |
| 脂質二重層 | 70 |

| | |
|-------------------|--------|
| 脂質メディエーター | 149 |
| シス型ペプチド結合 | 33 |
| シス作動性エレメント | 191 |
| シスチン | 30 |
| システイン | 26 |
| ジスルフィド結合 | 26, 30 |
| 次世代シーケンサー | 57 |
| 自然選択 | 17 |
| 自然発生説 | 12 |
| 質量分析 | 41 |
| ジデオキシリボヌクレオシド三リン酸 | 56 |
| シトクロム b_6f 複合体 | 129 |
| シトクロム c | 117 |
| シトシン | 44 |
| シトルリン | 162 |
| シナプス | 225 |
| ジヒドロキシアセトン | 58 |
| ジヒドロキシアセトンリン酸 | 96 |

| | |
|--------------|--------------|
| 脂肪酸 | 67, 136, 139 |
| 脂肪酸合成酵素 | 143 |
| 姉妹染色分体 | 172 |
| シャイン-ダルガーノ配列 | 211 |
| ジャコブ | 191 |
| シャルガフ | 48 |
| シャルガフの法則 | 49 |
| ジャンクDNA | 173 |
| 種 | 18 |
| 自由エネルギー変化 | 76 |
| 集光性複合体 | 128 |
| 終止コドン | 207 |
| 修飾塩基 | 202 |
| 従属栄養生物 | 124 |
| 主溝 | 49 |
| 主鎖 | 27 |
| 受動輸送 | 73 |
| 受容体 | 225 |
| 受容体タンパク質 | 75 |
| シュライデン | 20 |
| シュレーディンガー | 16 |
| シュワン | 20 |
| 循環的光リン酸化 | 132 |
| 常染色体 | 172 |
| 小胞輸送 | 217 |
| 上流 | 189 |
| 触媒 | 78 |
| 進化 | 17 |
| 真核生物 | 18, 22 |
| 新規合成経路 | 163 |
| 神経伝達物質 | 224 |

す

| | |
|-----------|---------------|
| 水素結合 | 30, 48 |
| 腓リパーゼ | 139 |
| スーパーコイル | 51 |
| スクアレン | 150 |
| スクシニルCoA | 113 |
| スクロース | 62 |
| ステロイド | 70 |
| ステロイドホルモン | 149, 152, 230 |
| ストロマ | 126 |
| スフィンゴシン | 68, 147 |
| スフィンゴ糖脂質 | 148 |
| スフィンゴミエリン | 68, 147 |
| スフィンゴリン脂質 | 68, 146 |
| スプライシング | 197 |
| スプライシング因子 | 199 |
| スプライソソーム | 199 |

せ

| | |
|-------------|--------------|
| 生化学 | 17 |
| 生氣論 | 12 |
| 生合成 | 16, 90 |
| 静止電位 | 234 |
| 性染色体 | 172 |
| 生体膜 | 70 |
| 成長因子 | 224 |
| 正の超らせん | 51 |
| 生物化学 | 17 |
| 生物分類法 | 18 |
| 性ホルモン | 152 |
| 生命の起源 | 13 |
| 生命の定義 | 15 |
| セカンドメッセンジャー | 75, 105, 227 |
| 接合 | 21 |
| セラミド | 68, 147 |
| セリン | 24 |
| セルロース | 63 |
| セレブロシド | 69, 148 |
| 遷移状態 | 77 |
| 繊維状タンパク質 | 36 |
| 染色体 | 50, 172 |
| 選択的スプライシング | 198 |
| 選択的透過性 | 70 |
| 善玉コレステロール | 138 |
| セントラルドグマ | 54, 171 |
| セントロメア | 172 |
| 線毛 | 21 |

そ

| | |
|---------|-----|
| 相転移温度 | 72 |
| 相同組換え | 184 |
| 相同組換え修復 | 184 |

| | |
|----------|-----|
| 相補性 | 54 |
| 属 | 18 |
| 側鎖 | 23 |
| 側方拡散 | 71 |
| 組織特異的遺伝子 | 195 |
| 疎水結合 | 29 |
| 粗面小胞体 | 217 |
| 損傷乗り越え複製 | 184 |

た

| | |
|----------------|----------|
| ダーウィン | 13 |
| 代謝 | 16, 90 |
| 代謝回転数 | 78 |
| 多細胞生物 | 22 |
| 脱アミノ化 | 181 |
| 脱力タン化 | 180 |
| 脱リン酸化酵素 | 230 |
| 多糖 | 58 |
| 胆汁酸 | 151 |
| 単純拡散 | 73 |
| タンデム質量分析 | 41 |
| 単糖 | 58 |
| タンパク質 | 23 |
| タンパク質キナーゼ | 219, 230 |
| タンパク質スプライシング | 218 |
| タンパク質切断 | 218 |
| タンパク質の代謝回転 | 157 |
| タンパク質の分解 | 157, 222 |
| タンパク質の立体構造 | 31 |
| タンパク質ホスファターゼ | 219, 230 |
| タンパク質ホスファターゼ 1 | 105 |
| タンパク質輸送 | 217 |

ち

| | |
|---------------|---------|
| チェイス | 53 |
| チオレドキシソ | 168 |
| チオレドキシソレダクターゼ | 168 |
| 窒素含有小分子 | 158 |
| チミジル酸シンターゼ | 169 |
| チミン | 44 |
| 仲介輸送 | 73 |
| 中性脂肪 | 136 |
| 超遠心 | 41 |
| 調節領域 | 188 |
| 超低密度リポタンパク質 | 136 |
| 超らせん | 51 |
| 直鎖状 | 50 |
| チラコイド内腔 | 126 |
| チラコイド膜 | 125 |
| チロシン | 24 |
| チロシンキナーゼ型受容体 | 230 |
| 沈降係数 | 41, 209 |

て

| | |
|------------------|----------|
| 定常状態 | 83 |
| 低分子核内 RNA | 188 |
| 低分子核内リボヌクレオタンパク質 | 199 |
| 低分子干渉 RNA | 204 |
| 低分子量 G タンパク質 | 232 |
| 低密度リポタンパク質 | 136 |
| デオキシリボース | 43 |
| デオキシリボヌクレオチド | 168 |
| テトラヒドロ葉酸 | 164 |
| テトロース | 58 |
| テロメア | 172, 181 |
| テロメラゼ | 181 |
| 転移 RNA | 54, 188 |
| 転移因子 | 173 |
| 電気泳動 | 40 |
| 電気化学ポテンシャル | 72 |
| 電子伝達 | 111, 117 |
| 電子のエネルギー準位 | 126 |
| 転写 | 171, 188 |
| 転写開始 | 188 |
| 転写開始部位 | 188 |
| 転写減衰 | 193 |
| 転写終結 | 188 |
| 転写終結部位 | 188 |
| 転写伸長 | 188 |
| 転写伸長因子 | 191 |
| 転写バブル | 190 |
| 天然状態 | 28 |
| デンプン | 63 |

と

| | |
|---------|--------------|
| 糖 | 43 |
| 同化 | 16, 90 |
| 同義コドン | 208 |
| 糖原性アミノ酸 | 158 |
| 糖鎖付加 | 219 |
| 糖脂質 | 68, 136, 146 |
| 糖質 | 58 |
| 糖新生 | 98 |
| 糖タンパク質 | 65 |
| 糖転移酵素 | 220 |
| 等電点 | 40 |
| 等電点電気泳動 | 40 |
| 糖尿病 | 107 |
| 独立栄養生物 | 124 |
| 突然変異 | 17 |
| トポアイソマー | 51 |
| トポイソメラゼ | 51, 174, 179 |
| トポロジー問題 | 179 |

| | |
|-------------|--------------|
| トポロジカル異性体 | 51 |
| ドメイン | 18, 35 |
| トランスアミナーゼ | 156, 158 |
| トランスアルドラーゼ | 107 |
| トランス型ペプチド結合 | 33 |
| トランスクリプトーム | 195 |
| トランスケターゼ | 107 |
| トランス作動性因子 | 192 |
| トランスポゾン | 173 |
| トリアシルグリセロール | 68, 136, 139 |
| トリオース | 58 |
| トリプトファン | 24 |
| トロネン | 24 |
| トロンピン | 80 |
| トロンボキサン | 149 |

な

| | |
|-------------------|----------|
| 内呼吸 | 15 |
| 内在ターミネーター | 191 |
| 内部リボソーム結合部位 | 213 |
| 内分泌 | 225 |
| 内分泌器 | 224 |
| ナンセンス変異 | 204, 208 |
| ナンセンス変異による RNA 分解 | 204 |

に

| | |
|---------------------------|---------|
| ニーレンバーグ | 206 |
| ニコチンアミドアデニンジヌクレオチド | 92 |
| ニコチンアミドアデニンジヌクレオチド リン酸 | 94 |
| 二次構造 | 31 |
| 二糖 | 58, 62 |
| 二本鎖切断 | 182 |
| 二本鎖切断修復 | 184 |
| 乳酸 | 98 |
| 乳酸発酵 | 98 |
| 尿酸 | 160 |
| 尿酸排泄性 | 160 |
| 尿素 | 29, 160 |
| 尿素サイクル | 160 |
| 尿酸排泄性 | 160 |

ぬ

| | |
|----------------|-----|
| ヌクレオシド | 46 |
| ヌクレオシドリン酸キナーゼ | 164 |
| ヌクレオシド二リン酸キナーゼ | 164 |
| ヌクレオソーム | 52 |
| ヌクレオチド | 43 |
| ヌクレオチド除去修復 | 182 |
| ヌクレオチド代謝 | 162 |

| | |
|-------------|----------|
| の | |
| 能動輸送 | 73 |
| ノーザン・プロット法 | 56 |
| は | |
| ハーシー | 53 |
| 肺炎球菌 | 52 |
| ハウスキーピング遺伝子 | 195 |
| 白鳥の首フラスコ実験 | 12 |
| パスツール | 12 |
| 発現 | 172 |
| バリン | 24 |
| パルミチン酸 | 142, 143 |
| パルミトレイン酸 | 141 |
| パンスペルミア仮説 | 14 |
| 半電池 | 116 |
| 反応中心 | 128 |
| 反復配列 | 173 |
| 半保存的複製 | 176 |
| ひ | |
| 非鋳型鎖 | 188 |
| 光化学系 I | 129 |
| 光化学系 II | 129 |
| 光酸化 | 127 |
| 光受容体 | 225 |
| 光電子伝達 | 125, 128 |
| 光リン酸化 | 125, 131 |
| 非還元糖 | 62 |
| 非競合阻害 | 87 |
| 非極性アミノ酸 | 24 |
| 非コードRNA | 54 |
| 非酸化的経路 | 107 |
| ヒスチジン | 26 |
| ヒストン | 51, 174 |
| ヒストンの翻訳後修飾 | 193 |
| 非同相末端連結 | 184 |
| ビタミン | 82 |
| ビタミンC | 37 |
| 必須アミノ酸 | 155 |
| 必須脂肪酸 | 144 |
| ヒドロキシプロリン | 36 |
| ヒドロキシリジン | 36 |
| ヒポキサンチン | 164 |
| 非翻訳領域 | 188, 207 |
| 標準アミノ酸 | 23 |
| 標準還元電位 | 116 |
| 標準自由エネルギー変化 | 77 |
| 標準水素電極 | 116 |
| 開いた読み枠 | 208 |
| ピリミジン | 44, 158 |
| ピリミジン二量体 | 181 |

| | |
|------------------|----------|
| ピリミジンヌクレオチド | 165 |
| ピルビン酸 | 94, 112 |
| ピルビン酸デヒドロゲナーゼ複合体 | 109, 112 |
| ピロシークエンス法 | 57 |
| ふ | |
| ファラデー定数 | 117 |
| ファルネシルグリニン酸 | 149 |
| ファンデルワールスカ | 29 |
| フィードバック阻害 | 81 |
| フィードフォワード活性化 | 81 |
| フェニルアラニン | 24 |
| フェレドキシン | 131 |
| フォールディング | 28, 217 |
| 不競合阻害 | 88 |
| 副溝 | 49 |
| 複合体 I | 117 |
| 複合体 II | 117 |
| 複合体 III | 117 |
| 複合体 IV | 117 |
| 複合体 V | 119 |
| 副腎皮質ホルモン | 152 |
| 複製 | 171 |
| 複製因子 | 177 |
| 複製起点 | 177 |
| 複製フォーク | 178 |
| 不斉炭素 | 58 |
| フック | 20 |
| 負の超らせん | 51 |
| 不飽和脂肪酸 | 67, 141 |
| フマル酸 | 114, 162 |
| プライマー | 175 |
| プライマーゼ | 177 |
| プラスチックノール | 130 |
| プラスチックノン | 129 |
| プラスチックアニン | 129 |
| フラビンアデニンヌクレオチド | 92 |
| フリップ・フロップ | 71 |
| プリン | 44, 158 |
| プリンヌクレオチド | 163 |
| フルクトース | 61 |
| フルクトース 1,6-ビスリン酸 | 96 |
| フルクトース 6-リン酸 | 96 |
| フレームシフト変異 | 208 |
| プローブ | 56 |
| プロゲステロン | 152 |
| プロスタグランジン | 149 |
| プロセシング | 80 |
| プロテアソーム | 221 |
| プロテオーム | 195 |
| プロテオグリカン | 65 |

| | |
|---------------------|---------|
| プロトン駆動力 | 119 |
| プロトンポンプ | 119 |
| プロモーター | 189 |
| プロリン | 24 |
| 分子擬態 | 214 |
| 分子シャペロン | 30, 217 |
| 分子ふるい効果 | 40 |
| へ | |
| 閉鎖複合体 | 190 |
| ハイフリック | 181 |
| ヘキソース | 58 |
| ヘキソキナーゼ | 96 |
| ヘテロクロマチン | 196 |
| ヘテロ原子 | 30 |
| ヘテロ三量体 G タンパク質 | 228 |
| ヘテロ多糖 | 63 |
| ペニシリン | 21, 65 |
| ペプチジル tRNA | 213 |
| ペプチジルトランスフェラーゼ | 209 |
| ペプチド | 27 |
| ペプチドグリカン | 21, 65 |
| ペプチド結合 | 27, 33 |
| ペプチドマスフィンガープリンティング法 | 41 |
| ヘプトース | 58 |
| ヘム | 37, 118 |
| ヘモグロビン | 37 |
| 変性 | 55 |
| 変性状態 | 28 |
| ペントース | 58, 106 |
| ペントースリン酸サイクル | 106 |
| 鞭毛 | 21 |
| ほ | |
| 補因子 | 37, 81 |
| 傍分泌 | 225 |
| 飽和脂肪酸 | 67, 141 |
| ポーリング | 31 |
| 補欠分子族 | 82 |
| 補酵素 | 82, 92 |
| 補酵素 A | 94 |
| 補酵素 Q | 117 |
| 補充反応 | 115 |
| ホスファチジルエタノールアミン | 147 |
| ホスファチジルセリン | 147 |
| ホスファチジン酸 | 68, 145 |
| ホスホエノールピルビン酸 | 96 |
| ホスホジエステラーゼ | 105 |
| ホスホジエステル結合 | 47 |
| ホスホリパーゼ | 147 |
| ホメオスタシス | 16, 101 |

| | | | | | | | |
|---------------|---------|------------------------------------|----------|----------------|---------------|----------|--|
| ホモ多糖 | 63 | メトトレキサート | 170 | リブロース5-リン酸 | 107 | | |
| ポリ(A)配列 | 200 | メバロン酸 | 149 | リボース | 43 | | |
| ポリ(A)付加シグナル | 200 | 免疫 | 38 | リボース5-リン酸 | 106, 108, 163 | | |
| ポリ(A)ポリメラーゼ | 200 | 免疫グロブリン | 38 | リボザイム | 55, 202 | | |
| ポリシストロン性 | 210 | メンデルの法則 | 52 | リボソーム | 54, 209 | | |
| ホリデイ構造 | 184 | も | | | リボソームRNA | 54, 188 | |
| ポリペプチド | 27 | 目 | 18 | リボタンパク質 | 136 | | |
| ポリメラーゼ連鎖反応 | 56 | モノー | 191 | リボヌクレアーゼA | 28 | | |
| ポルフィリン | 158 | モノシストロン性 | 210 | リボヌクレオタンパク質 | 199 | | |
| ホルモン | 224 | 門 | 18 | リボヌクレオチドレダクターゼ | 168 | | |
| ホルモン感受性リパーゼ | 139 | や | | | 両逆数プロット | 86 | |
| ホロ酵素 | 81, 188 | ヤンセン | 20 | 両親媒性分子 | 70 | | |
| ポンプ | 228 | ゆ | | | リンカーヒストン | 51 | |
| 翻訳 | 171 | 融解温度 | 55 | リンキング数 | 51 | | |
| 翻訳開始 | 211 | ユークロマチン | 196 | リンゴ酸 | 114 | | |
| 翻訳開始因子 | 210 | 誘導性遺伝子 | 195 | リン酸 | 46 | | |
| 翻訳後修飾 | 80, 219 | 誘導適合 | 79 | リン酸化 | 219 | | |
| 翻訳終結 | 214 | ユーリー | 14 | リン酸化酵素 | 230 | | |
| 翻訳終結因子 | 210 | ユーリー-ミラーの実験 | 14 | リン脂質 | 68, 136, 146 | | |
| 翻訳伸長 | 213 | ユビキチン | 157, 221 | リンネ | 18 | | |
| 翻訳伸長因子 | 210 | ユビキチン-プロテアソーム経路 | 157 | る | | | |
| 翻訳の制御 | 216 | ユビキチン化 | 221 | ルビスコ | 133 | | |
| ま | | | | | | れ | |
| マイクロRNA | 203 | ユビキノール型 | 118 | 励起状態 | 126 | | |
| 膜タンパク質 | 70 | ユビキノン型 | 118 | レーウエンフック | 20 | | |
| 膜電位 | 74, 228 | ゆらぎ塩基対 | 215 | レセプター | 75, 225 | | |
| 膜内性タンパク質 | 70 | よ | | | レチナール | 226 | |
| 膜の流動性 | 72 | 葉緑体 | 125 | ろ | | | |
| 膜表性タンパク質 | 70 | 葉緑体ATPシンターゼ | 131 | ロイコトリエン | 149 | | |
| 膜輸送 | 70, 72 | 四次構造 | 33 | ロイシン | 24 | | |
| 末端複製問題 | 180 | 読み枠 | 206 | ロドプシン | 225 | | |
| マトリックス | 111 | ら | | | わ | | |
| マルトース | 62 | ラインウィーバー-バークプロット | 86 | ワトソン | 47 | | |
| マロニルCoA | 142 | ラウリル硫酸ナトリウム | 40 | ワトソン-クリック塩基対 | 48, 174 | | |
| み | | | | | | | |
| ミオシン | 233 | ラギング鎖 | 178 | | | | |
| ミカエリス-メンテン式 | 85 | ラクトース | 62 | | | | |
| ミカエリス定数 | 84 | ラノステロール | 150 | | | | |
| ミスセンス変異 | 208 | ラマチャンドランプロット | 33 | | | | |
| 水分解 | 130 | り | | | | | |
| ミスマッチ修復 | 183 | リーディング鎖 | 178 | | | | |
| ミセル | 70 | リガンド | 75 | | | | |
| ミトコンドリア | 111 | リジン | 26 | | | | |
| ミラー | 14 | リソソーム | 217 | | | | |
| め | | | | | | | |
| 明反応 | 124 | リソソーム経路 | 157 | | | | |
| メセルソンとスタールの実験 | 176 | 立体異性体 | 58 | | | | |
| メタボリズム | 16 | リプレッサー | 191 | | | | |
| メチオニン | 24 | リブロース1,5-ビスリン酸 | 134 | | | | |
| メッセンジャーRNA | 54 | リブロース1,5-ビスリン酸カルボキシ ラーゼ/オキシゲナーゼ | 133 | | | | |