

数字

#1.5のカバーガラス	200
10x Genomics社	89, 251
3C	120, 140
1本鎖DNA	94
1細胞Hi-C	136
1細胞RNAシーケンス法	257
1細胞解析	136
1分子RNA-FISH	195

欧文

A ~ C

A/Bコンパートメント	117, 120
Alexa488	197
ANCHOR	208
ATAC-seq	188
ATAC-seq	71, 89, 188
BAMファイル	44
Big wigファイル	44
Biotin-14-dATP	143
BMP	168
boxB配列	207
BrdU-IP	105
BS処理	95
Capture Hi-C	140
Cell Hashing	261
Cell Ranger	91
CEL-seq2	248
ChILプローブ	53
ChIL反応	53
ChIP	20, 67
ChIP-seq	10, 26, 47
Chromium Controller	89
CITE-seq	257
ConA ビーズ	26, 30

Cot1 DNA	183
Ct値	34
CUT & RUN	26, 38, 42
CUT & Tag	37
Cy5	197

D ~ F

DAPI	196
dCas9	208, 219, 231
dCas9-FPシステム	230
DNA-FISH	174, 179, 219
DNAメチル化	92
DNAリガーゼ	120
DNA断片化	149
DNA複製	105
DNA複製タイミング	105
DNA複製解析	116
Docker	42
Dpn II	156
dUTP	185
Enzymatic Methyl-seq (EM-Seq)	101
FISH	183
FISHプローブ	185
FRiP	70

G ~ I

GAM	137
GC bias	162
H3K4me3	161
H3K27me3	161
HE染色	252
Hi-C	120, 136, 140
HiC kit	134
HiSeq X	100
Hoechst 33342	196
ImageJ	203

<i>in situ</i> hybridization	242
intron seqFISH	242
<i>in vitro</i> 転写	245
<i>in vivo</i> イメージング	233

J ~ L

Jaccard係数	69, 70
LacO/LacI	221, 231
Loupe Browser	91

M · N

Mango アプタマー	207
MCP	206
MER FISH	242
Mintbody	233
MNase	26
modifications	208
MoonTag	209
MS2/MCPシステム	211
MS2システム	206, 229
mtChIL-seq	65
NGS解析	159
Nucleus Hashing	263

P ~ R

pAG-MNase	26, 38
pA-MNase	26
ParB/INTシステム	231
PCRサイクル数の決定	76
Photo-Isolation Chemistry	247
PP7	207
PP7/PCPシステム	217
Protein A	38
ProteinA/G-MNase	38
Protein A/G 磁気ビーズ	15
Proteinase K	16

Protein G 38
 RNA-FISH 174, 177
 RNA-seq 247
 RNA ポリメラーゼ II (RNA poly-
 merase II, Pol II) ... 207, 211, 230
 ROLEX 208, 229

S・T

scFv 208, 233
 scRepli-seq 105, 116
 scRNA-seq 257, 261
 seqFISH 242
 seqFISH + 242
 Shh 168
 smFISH 195, 197, 242
 S/N 比 162
 Spatial Transcriptomics 251
 spike-in 正規化 162
 SPRING 113
 SPRITE 137
 SS 結合 234
 Streptavidin T1 ビーズ 150
 SunTag 209
 SureSelect 151
 T7 RNA polymerase 245
 T7 RNA polymerase プロモーター
 53
 TACS ライゲーション 94, 103
 TALEs 219
 TAMRA 197
 TetO 208
 TetO/TetR 219, 231
 Tn5 71, 189
 Tn5 トランスポゼース (Tn5 trans-
 posase) 47, 71, 85, 188
 Tn5 複合体 72
 topologically associating domain
 (TAD) 117, 120
 TotalSeqTM 260

tPBAT 92, 103

V~X

Visium 251
 WGBS 92
 Wnt 168
 Xist/Tsix 227

和文

あ行

アクセシビリティ 83, 189
 アダプターライゲーション 152
 アフィニティ精製 85
 ウィンドウサイズ 162
 運命制御機構 168
 エピトープタグ 205
 エマルジョン 89
 オープンクロマチン 71
 オープンクロマチン領域 188
 オリゴDNA 197
 オリゴヌクレオチド標識抗体 260

か行

回折限界 243
 核内局在 229
 核内コンパートメント 115, 116
 核の単離 90
 仮説検証型解析 159
 仮想環境 43
 感度 69, 70
 偽陰性 70
 偽陽性 70
 空間オミクス 247
 空間的遺伝子発現解析 251
 空間配置情報 242

区画化 132
 クロスリンク 10, 13, 146
 クロマチン高次構造 120
 クロマチン消化 147, 156
 クロマチン状態 10
 クロマチン相互作用 120
 クロマチン免疫沈降 20, 67
 蛍光視野絞り 249
 蛍光標識 dUTP 185
 蛍光標識オリゴDNA 197
 ケージド化合物 247
 血管内皮 162
 ゲノム DNA 可視化 220
 ゲノム三次元構造 120
 高次クロマチン 136
 高次ゲノム構造 229
 抗体 20
 抗体 Fab 領域 208
 抗体可変領域 233
 コンカナバリン A コーティング磁気
 ビーズ 26

さ行

再現度 69
 細胞周期 105, 108
 ジギトニン 26
 シグナル・ノイズ比 196
 自作 38, 183, 185
 シトシン 102
 修飾特異的抗体 233
 受精卵 31, 36
 ショウジョウバエ 211
 少数細胞 81
 少数細胞クロマチン解析法 67
 初期胚 211
 シングルセル 89
 シングルセル ATAC-seq 89
 シングルセルソーティング 108

神経幹細胞	168
親和性	20
ステムループ	206, 211
正規化	159
生細胞プローブ	233
生殖細胞	132
精度	69, 70
性能指標	68
接着細胞	13
ゼブラフィッシュ	239, 240
全ゲノム増幅 (whole genome amplification, WGA)	106
全ゲノムバイサルファイトシーケンシング	92
転写制御因子	10
ソニケーション	14

た行

ターミナル	43
脱クロスリンク	148
探索型解析	159
短鎖ライブラリー	72
タンパク質精製	39
断片化効率	17
着床前初期胚	36
長鎖ライブラリー	72
データ駆動型解析	159
適合度	69
デコード	244
デジタルミラーデバイス	249
転写	205, 229
転写因子	10, 47
転写制御	205
転写バースト	208, 211, 217
特異性	20
特異度	70
トポロジカルドメイン	117
トランスポゾン	85

トランスポゾン転移酵素	85
ドロップアウト	258

な行

二群判別タスク	67
ニックトランスレーション	176, 185
ニューロン分化	168
認識能	20
スクレオソーム	36, 71

は行

バイサルファイト (BS) 処理	92
バイナリ化	112
ハイブリダイズ	153, 174
配列決定のカスタムサービス	100
バッチ効果	261
ピーク	68
ビオチン化RNA	140
ビオチン標識DNA	150, 156
ビオチン標識スクレオチド	148
ヒストン修飾	10, 21, 26, 47
品質評価	160
複製タイミング	116
複製ドメイン	105
フットプリント	71
浮遊細胞	13
フローサイトメトリー	257
ヘテロクロマチン	116
ポリクローナル	21
ポリコーム群タンパク質	168
ホルムアミド	198
翻訳	205

ま行

マウス胚性幹 (ES) 細胞	117
マスサイトメトリー	257

マッピング	44
マッピングデータ	45
マルチプレックス法	261
マルチプレート	261
マイクロコッカススクレアーズ	26
メチル化状態	102
メチローム解析	93, 101
免疫蛍光染色	252
免疫染色	174, 179
免疫沈降	10
モチーフ解析	160
モノクローナル	21
モルフोजェン	168

や行

ユークロマチン	116
融合型研究	119

ら行

ライプライメーキング	211, 219, 239
ライブラリー	10, 16
ライブラリーコンプレキシティー	72
ライブラリー調製	92, 98
ラダー	36
卵子	36
ランダムプライミング	102
リピート配列	183
リンカー領域	189