索引

数字 13C 314 13C-MFA 315 13C-代謝フラックス解析法 315 15N 314 1細胞プロテオーム解析 317 1細胞プロテオミクス 153 1細胞分子フェノタイプ解析 317 1細胞分子フェノタイプ解析 317 1細胞分子フェノタイプ解析 317 2.5-DHB (ジヒドロキシ安息香酸) 261, 272, 273 4-ヒドロキシけい皮酸 261 9-AA 34 9-アミノアクリジン 34

欧文

$A \sim C$

| α -CHCA | /: |
|---------------------------------|----|
| α-シアノ-4-ヒドロキシけい皮酸 | |
| | 72 |
| AIQS 2 | |
| APCI | |
| APEX 1 | 95 |
| AP-MS 2 | |
| APPI ····· | |
| AQUA peptide ····· 219, 2 | |
| AUC比 ····· | |
| BAC 3 | |
| Benzonase ···· 1 | |
| BioID | 98 |
| | 95 |
| | 95 |
| C18 (カラム) ······ 13, 30, 108, 3 | |
| C8 ····· | |
| CBB染色 | |
| CE | |
| CEC | 44 |
| | 94 |
| CF-MS 293, 2 | 95 |
| CHAMP法 207, 2 | |
| CHCA | |
| ChemCalc 3 | |
| ChemSpider 3 | 45 |
| ChEP法 2 | 89 |
| | |

| ChIP-MS ····· | 289 |
|--|-------|
| ChIP-Seq · · · · · · · · · · · · · · · · · · · | 290 |
| CI 23 | 3, 25 |
| CID 12, 18, 29, 282, 322, | 323 |
| co-fractionation MS | 293 |
| contaminants of emerging concern | 344 |
| CRISPR-ChAP-MS · · · · · · · · · · · · · · · · · · · | 290 |
| CRISPR-dCas9 ····· | 290 |
| c/zイオン | 326 |
| C末端CHAMP法 207, | 210 |
| | |

$D \sim F$

| Data descriptor | 331 |
|---|---------------|
| Data in brief | |
| DCTB | 272, 273 |
| DDA 38, 93, | 111, 161, 298 |
| de novoペプチド配列解析… | 322 |
| DHB ····· | 34, 261 |
| DIA39, | 161, 177, 320 |
| DIA-NN | |
| Differential MNase 法 ········ | 289 |
| Digitonin · · · · · · · · · · · · · · · · · · | |
| DMAN | |
| DPN ····· | |
| DS法 ······ | |
| DynamX | |
| EAD | |
| ECD ····· | |
| Edman 分解法 ······ | |
| EDTA 血漿 ······ | |
| EI (electron ionization) | |
| EID····· | |
| EIEIO ····· | |
| EI-MSデータベース ······· | |
| ERLIC | |
| ESI | |
| ESI法 ····· | |
| ETD | |
| EVs ····· | |
| FAIMS ····· | |
| FAIR データ原則 ······ | |
| FLAG | |
| FT | |
| FT-ICR ····· | |
| FTMS | |
| FTP | 329 |
| Gal | |
| 17~1 | |

$G \sim I$

| GC 12, | 23 |
|---|-----|
| GC-EI-Q-MS····· | 22 |
| GC-MS ·····22, 23, 98, 119, 250, 253, 3 | 348 |
| GC/MS 3 | 344 |
| GC-MS-MS2 | |
| GC-QMS ····· | |
| GC カラム | |
| GC 昇温····· | 99 |
| GELFrEE 3 | 311 |
| | |

| Genbank ····· | | |
|--------------------------|-----------|-----|
| GEO | | |
| GLC ····· | | |
| GluC ····· | | |
| Gradient-seq法 | | 290 |
| GSC ····· | | |
| HABA ····· | | |
| HACCP | | 226 |
| HAD | | |
| HAD-MS/MS ····· | | |
| HAD/OAD ····· | | |
| HDExaminer ····· | | |
| HDPE ····· | | |
| HDX-MS ····· | | |
| High-pH C18 | | |
| HILIC | | |
| HMDB ····· | | |
| HPLC····· | | |
| HSA ····· | | |
| HS-SPME (法)······ | | 122 |
| Human Metabolome Databa | | |
| | 99, | |
| Human Proteoform Project | | 310 |
| IAA ····· | | 192 |
| IC/HRMS/MS ····· | | |
| IC/MS ····· | 108, | 109 |
| ICP ····· | | |
| ICP-MS | 41, 45, | 280 |
| ICPイオン源 | | 41 |
| IEX····· | | 295 |
| IgG ····· | | 305 |
| IMAC (法)······ | 185, | |
| IMAC レジン ······· | | 202 |
| IP-MS ····· | 187, 290, | |
| ISO/IEC17025 | | 230 |
| ISPEC法 ······ | | 319 |
| iTRAQ ····· | 161, | 182 |
| | | |

J~L

| Journal of Proteome Data and Methods | |
|--|----|
| 33 | 1 |
| JPDM 33 | 1 |
| jPOST (リポジトリ) 32 | 9 |
| K-ε-GGペプチド 21 | 4 |
| KED 28 | 2 |
| LabSolutions Insight Explore 13 | 4 |
| LC 12, 1 | 6 |
| LC/ESI-MS 10 | 8 |
| LC-ESI-Q-MS ····· 1 | 6 |
| LC-ESI-QqQ-MS·····1 | 9 |
| LC/HRMS 8 | 4 |
| LC/HRMS/MS75, 82, 11 | 0 |
| LC-MS ····· 16, 27, 51, 108, 306, 31 | 0 |
| LC/MS 8 | 4 |
| LC-MS/MS······ 18, 36, 60, 63, 86, 130 | Э, |
| 134, 162, 199, 34 | 8 |
| LC/MS/MS·····8 | |
| LC/NMR ·····9 | 16 |

| LC-PDA ····· | 57 | NMR ····· | 96 | Q-OrbitrapMS ····· | 110 |
|---|----------|--------------------------------|-------------|----------------------------|-------------|
| LC-QMS ····· | 51 | NORMAN | 345 | QqQ ····· | |
| LC-QqQMS ····· | | NP-40 | | QqQMS····· | |
| LC-QTOF/MS ······ | | NPC ····· | | QTOF ····· | |
| LC/SRM/MS | | N末端CHAMP法······ | | ρ-メトキシケイ皮酸2-3 | |
| LC/UV | | OAD | | p > 1 11 > 1 \times 12 | |
| LC カラム | | ODS | | reciprocal | = |
| LC 分離 ······· | | ODS カラム | | RNase A ····· | |
| LFQ | | OpenSWATH | | Rivase A | 100 |
| LIPIDMAPS | | orbitrap 12. 20, 164, 184 | | S~U | |
| LiP-MS | | 01 bittap 12. 20, 104, 104 | , 210, 303 | | |
| LogPow | | P∼R | | C.A. | 24.261 |
| LysargiNase | | | | SA ······ | , |
| Lysarghvase Lys-C 1 | | DAGE | 1.10 | SAFE法 | |
| | | PAGE | | SA-SBSE- 逆抽出法 ····· | |
| L-アスコルビン酸 | 239 | Paternò-Büchi 法 ····· | | Scientific Data ······ | |
| MacO | | PDA | - , - | SCX ····· | |
| M ~ O | | PDMS ····· | | SDC | |
| | | PEAKS | | SDS | |
| [M+Na] + | | PEPPI-MS ····· | ·· 311, 312 | SDS-PAGE ····· | |
| MALDI 12 | , , | peptide mass fingerprint法 … | 35 | SEC ····· | |
| MALDI-MS 33, 2 | 258, 271 | PFASs ····· | 345 | semimicro-LCカラム | |
| MALDI-TOF-MS | | PFOA ····· | 345 | SFC ····· | |
| 22, 60, 271, 272, 2 | 274, 306 | PFOS | 345 | Signpost MS ····· | 133 |
| MALDIマススペクトル | 268 | PFP ····· | 64 | SILAC培地 ······ | 169 |
| MassBank 99, 3 | 335, 336 | PFPP ····· | 108 | SILAC法 ······ | 168 |
| mass defect····· | 92 | PFPP-LC/MS/MS ····· | 112 | SILAC ラベル効率 | 172 |
| MassIVE ····· | 329 | PFPP-LC/MS法 ····· | 108 | SIM (selected ion monito | oring) |
| MaxQuant | 171 | Phos-tag 電気泳動 | 147 | | 18, 57, 250 |
| McFarland 標準液······ | 259 | PISA ····· | 294 | Skyline ····· | 171, 177 |
| MELDI法 ······ | 326 | pKa ····· | 236 | SLS | 148 |
| MOAC ····· | 200 | plasmaEDD法 ····· | 326 | solvent assisted flavor ev | aporation |
| MOLEX | 208 | PMF法 ····· | 36 | | 120 |
| monoisotopic mass | 333, 335 | PMMA | 273 | SOP | 229 |
| MonoTrap | | PMOCs ····· | 346 | SP3 | 188 |
| MRM 12, 39, 1 | 10, 112, | PP | 237 | SP3法 | 154, 201 |
| 130, 177, 3 | | PPCPs ····· | 236 | SPS | 184 |
| MRM クロマトグラム | 179 | PPP ····· | 64 | SRM | 12, 39 |
| MRM トランジション 1 | | PRESTO | 329 | StageTip ····· | |
| MS | | PRIDE Archive | | Subtract 機能 ············· | |
| MS ³ | 184 | PRM ····· | | Super SILAC法 ········· | |
| MS file reader | | Protein G ····· | | SWATH | |
| MS/MS 12, 29, | | Protein G-セファロース(アガ | | TBDMS ······ | 98 |
| 182, 322, 3 | | | | TDM ····· | |
| MS レンジ | | ProteinLynx Global SERVER | | TEAB ····· | |
| MudPIT | | Proteome Discoverer | | Tenax ····· | |
| m/z | | ProteomeXchange Consortium | | tert-ブチルジメチルシリ | |
| NAGINATA ······ | | proximity labelingプロテオミク | | TFA | |
| NAGINATA NAGINATA for AXEL | | proximity labeling / = / 4 < / | | THAP | |
| NAGINATA for ChemStation | | PRP | 255 | TIC····· | |
| nano-LC/MS/MS······ | | PS | | time-of-flight ····· | |
| National Center for Biotechnolog | | PTFE 容器 ······ | | TiO2 ····· | |
| Information | | | | TMS ····· | |
| | | PTS | | | |
| Native-PAGE NCBI | | PTS法 | | TMT152, 16 | |
| | | PubChem | | TOF /MS | |
| NC 末端 CHAMP 法 ··································· | | pulsed SILAC | | TOF/MS ······ | |
| Nd:YAG レーザー | | PXC | | TPP | |
| NEDC | | Py-GC-MS ····· | | trans-2-[3-(4-tert-ブチル | |
| NIAS | | Q | | -2-メチル-2-プロペニ | |
| NIST ····· | 99 | QMS ····· | 51 | マロノニトリル | 2/2 |

| Triton X-100 | イオン化抑制 | . 35 . 17 | 核膜孔 | 290 |
|---|---|----------------------------------|--|-------------------|
| TR-TUBE法 218 | イオン源 | | 化合物組成式 | |
| TrypN | イオン交換 | | ガスクロマトグラフィー | |
| Trypsin | イオン交換クロマトグラフィー・ | | 河川 (水) | |
| TurboID | イオントラップ型マスアナライザ | | カタログ化 | |
| Twister 120, 127 | 14マドラフラ型 、 ハフラブイリ | | カチオン化剤 | |
| UHPLC | イオンモード | | 活性アルミナ | |
| unified-HILIC/AEX/MS 321 | イオンモビリティ | | 活性炭 | |
| UPLC 301 | 異性体 | | 加熱殺菌 | |
| UVPD | イソフラボン類 | -, | 加熱処理・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・ | |
| UV クロマトグラム94 | - 一価試料イオン | | カビ・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・ | |
| UV 検出器 87 | 一斉スクリーニング | | 可溶性タンパク質 | , |
| O V 快田福 | 遺伝子操作 | | ガラス容器 | |
| V ~ Y | 医薬品開発 | | カラム | |
| V - I | 医薬品製造 | | 簡易 | |
| 170 | 医栄 展 経 | | 環境汚染物質 | |
| V8プロテアーゼ 207 | インソース CID | | 環境試料 | |
| VOC | インターフェイス ······ | | 環境水 | |
| Webkis-plus 236 | インターノエイスインタクト分析 | | 環境媒体 | |
| XL-MS | ウイルスタンパク質 | | 環境分析 | |
| Y2H | リイルステンパク貝···································· | | 還元アルキル化(処理)… | |
| y系列21 | 液-液抽出 | | 還元ペプチドマップ法 … | |
| | ルー仮抽山 エキシマレーザー | | 乾式灰化 | |
| - de alla | 液体クロマトグラフ | | | |
| 和文 | 液体クロマトグラフィー | | 干渉イオン 鑑定 | |
| | | | 塩定 気─液クロマトグラフィー | |
| あ行 | エタノール ···································· | | | |
| | エピトープ | | 気─固クロマトグラフィー ギ酸 | |
| | | | 基準値 | |
| アイソバリックタグ | エレクトロスプレーイオン化(法 | | 巻 年順 | -, |
| アクリル酸 n- デシル 241 | 塩酸グアニジン | , , | 規制 | |
| アセトニトリル 28, 31, 247, 262 | 塩析 | | 既知成分 | |
| アニオン交換 SPE カラム ··········· 311 アビジン ······ 195 | 塩析効果 | | 機能性成分 | |
| | ¹ | | 揮発性 | |
| アフィニティークロマトグラフィー | オービトラップ型 | | 揮発性成分 | |
| 7ミオダロン 241 | オープンサイエンス | | 揮発性有機化合物 | |
| アミド結合 | 汚染源 | | 逆相 HPLC 分画 ·········· | |
| アミノ酸 | 汚染物質 | | 逆相LC···································· | |
| アミノ酸 | 77米初貝 オリゴ (dT) | | 逆相クロマトグラフィー | -, |
| アミノ酸数残基 | オリフィス | | 逆相高速液体クロマトグラ | |
| アミノ酸分類98 | オルトネーザルアロマ | | きャピラリーLC | |
| アミノプロピル基 | オンライン固相抽出 | | キャピラリーカラム | |
| アルカン混合物 | オンラインツール | | キャピラリー電気泳動 … | |
| アルキル化処理 | 7.7.1.7.7.7 | 332 | キャリーオーバー | |
| アルゴンガス41 | か行 | | 共結晶 | |
| アルゴンプラズマ 41 | 75 13 | | 凝集体 | |
| 安価 | 海域 | 242 | 強陽イオン交換クロマトグ | |
| 安定性 | 外部精度管理 | | | |
| 安定同位体45 | 外部標準法 | | 共溶出 | 20, |
| 安定同位体添加法 … 122 | 香り | | 極性代謝物 | |
| 安定同位体標識 | ・ | | 極性メタボローム分析 … | |
| 安定同位体標識アミノ酸 168 | 化学構造 | | 菌糸 | |
| 安定同位体標識ペプチド 174 | 化学物質 | | 均質化 | |
| 安定同位体を含まないTMT 試薬 … 185 | 化学物質スクリーニング ········· | | 近接依存性標識法 | |
| アンモニウムイオン 29 | 14寸10 貝ハノリー・フ | | 近傍タンパク質 | |
| | 化学丘界 | うに1 | が後々ノハクロ | I 45 |
| | 化学兵器 核酸 | | | |
| イオン化43 | 核酸 | 271 | クリーンナップ処理 | 157 |
| イオン化 43 イオン化促進 47 | | ···· 271 ···· 199 | クリーンナップ処理 クリニカルプロテオミクス | 157 159 |
| イオン化43 | 核酸 | ···· 271 ···· 199 ···· 288 | クリーンナップ処理 | 157 159 289 |

| 珪藻土 | | コンパクト | 51 | 主要元素 | |
|---|----------------|--|----------|---|----------|
| 怪量 | | ンに | | 順相 LC······ | |
| 比粧品 | | さ行 | | 消化 | |
| 下水 | | | | 消化酵素 | |
| 泣液 ⋯⋯⋯⋯⋯⋯⋯ | , | 細菌 | 258 | 消化効率 | |
| 吉合タンパク質 | 147 | 採血 | 63 | 消化ペプチドの抽出 | 145 |
| ι漿 ⋯⋯ 63 | 3, 64, 89, 305 | 再現性 | 40, 183 | 蒸気圧 | 236 |
| 吉晶化 | 276 | 採取 | 236 | 衝突誘起解離 | 18, 29 |
| □漿ペプチドーム (解析)… | 305 | サイズ排除(クロマトグラフィ | (-) | 食品 | 229, 235 |
| 油清 | ····· 73, 306 | , | | 食品安全委員会 | 225 |
| □清アルブミン | 305 | 細胞外小胞 | , | 食品安全基本法 | 225 |
| Ⅱ中濃度-時間曲線下面積(| | 細胞核プロテオミクス | | 食品衛生 | |
| プール法 | | 細胞可溶化 | | 食品衛生検査指針 | |
| デル電気泳動 | | 酢酸イオン | | 食品衛生法 | |
| ブル内消化 | -, | 酢酸エチル | | 食品添加物 | |
| ブルの切り出し | | | | 植物組織 | |
| けん化 | | サブユニット分析・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・ | | 除タンパク法 | |
| | | 酸化開裂 | | | |
| 限外濾過法 ······ | | 酸化物 | | 除タンパク質溶媒 | |
| 研究計画 ······ | | 酸化防止剤 | | ショットガン解析 | |
| 食査 ···································· | | サンプリングコーン | | ショットガンプロテオミク | |
| 食出感度 | | サンプル数 | | | ,, - |
| 食量線 | | サンプル調製 | 13 | シリカゲル | , , |
| 検量線データベース法 ⋯⋯ | | サンプル量 | 204 | シリコンオイル | |
| 负量線法 | ····· 48, 284 | 残留性・移動性有機化学物質 | 346 | シリコンポリマー | |
| 5圧グラジエント | 31 | 残留農薬 (分析) | 251, 349 | 新規生理活性ペプチド | 305 |
| 5価 | 19, 185 | 三連四重極型 | 12, 18 | 真菌 | 258, 266 |
| 高極性代謝物 | 79 | ジェネレーター | 16 | シングル四重極型 | 16 |
| 高効率受動抽出法 | 311 | 紫外線吸収剤 | | シングルショット | 161 |
| 高識別解像度 | 259 | 紫外 (光) レーザー | | 新興環境汚染物質 | 344 |
| 高次構造 | 300 | 磁気ビーズ | | 親水性相互作用・陰イオン | |
| 高深度(解析) | | シグネイチャーペプチド | | グラフィー質量分析 | |
| ↑ 成高分子 ···································· | | 試験計画・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・ | | 親水性相互作用クロマトク | |
| 高精度 | | | | 7504 CETE E117117 - 1 1 7 | |
| 3/11/2 | | 四重極型(質量分離装置) | | 新生児マススクリーニング | |
| 高精密マススペクトル | | システインの還元 | | 診断マーカー | |
| 高相雷マススペクトル 構造決定(同定) | | システムズバイオロジー | | | |
| | | ジスラノール | | 真度 | |
| 構造検索 | | ジスルフィド結合 | | 水酸化の位置 | |
| 孝素活性 | | 磁性カルボキシル基ビーズ … | 154 | 水酸化物 | |
| 孝素 - 基質間相互作用 | | 疾患関連バイオマーカー | | 水質 | |
| 亢体医薬品 | | 湿式分解 | 285 | 水生生物 | 243 |
| 亢体の選択 | | 室内精度 | 232 | 水素/重水素交換質量分析 | |
| 公定法 | 236 | 質量較正用化合物 | 273 | 水道水 | 235 |
| 亢ビオチン抗体 | 195 | 質量分析イメージング | 35 | 水道水質検査 | 229 |
| 光分解性 | 236 | 質量分離法 | 12 | スキマーコーン | 44 |
| 高分解能モード | 272 | 時点プール法 | | スキャン(法) | 18, 250 |
| 5分子 | 27, 34 | 自動化 | | スクリーニング分析 | 250 |
| 高分子材料分析 | 271 | 自動同定定量システム | | ストレプトアビジンビース | ₹ 154 |
| 孝母 | 258. 266 | シナピン酸 | | スパイラルモード | |
| ・・ 孝母ツーハイブリッド法 … | | ジヒドロキシプロピル基 | | スプレーチャンバー | |
| ら密度ポリエチレン······· | | ジメチル標識 | | スペクトル干渉 | |
| カロスホテーテレン カリン酸化チロシン抗体 … | | | | スルホベタイン | |
| 1ーン | | ジメチルポリシロキサン | | | |
| | | 重金属 | | 正イオンモード 特制 | |
| √型 | | 重水素 | | 精製 ************************************ | |
| コクロマトグラフィ | | 重水素交換率 | | 静電反発親水性相互作用流 | |
| 国相抽出 ······ | , - | 充填カラム | | グラフィー | |
| | 351 | 充填剤 | 24 | 精度 | |
| | | | | | |
| コリジョン/リアクションセ | 2ル | 自由度 | | 精度管理 | . , |
| 呉認定 コリジョン/リアクションも | 2ル | 自由度 | | 精度管理 | 225 |

| 成分含有量 | 139 | 抽出 | 245 | トリアゾール | 31 |
|---|----------|--|------------|--|-------------------|
| 精密質量 | | 中性糖 | 51, 56 | トリエチルアミン | 29 |
| 生理活性ペプチド・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・ | 305 | 中性ラジカル照射 | 325 | トリオクチルアミン | 241 |
| 絶対検量線 | | 超音波ネブライザー | | トリプシン消化 | |
| 絶対定量法 | | 超高速液体クロマトグラフィー | | トリフルオロ酢酸 | |
| 前処理 | | 超臨界流体クロマトグラフィー | | トリメチル(オクタデシ | |
| 前処理工程における汚染 | | 直接途抹法 | | Δ | |
| 前処理効率 | | 低圧グラジエント | | トリメチルシリル | |
| 選択イオンモニタリング | | ディープラーニング | | トレーサー実験 | |
| 選択性 | | 低エネルギー衝突誘起解離 | | アレリー大歌 | 514 |
| 選択反応モニタリング | | 低コスト 161 | | な行 | |
| 相間移動溶解法 | | 定性 | | ሬገገ | |
| | | / G III | | . I . I = 20 | |
| 相対定量法 | | 低沸点有機溶媒 | | 内標準元素 | |
| 想定代謝物 | | 低分子化合物 | | 内標準物質 | |
| 組織 | | 低分子代謝物 | | 内標準法 | |
| 組織ホモジネート・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・ | | 低分子バイオマーカー | | 内標準溶液 | |
| 組成式推定 | | 低分子マススペクトル | | 内部精度管理 | |
| ソフトイオン化法 | | 定量 | , | 内部標準 | 121, 174 |
| ソフトウェア | | 定量性 | | 内部標準法 | 48, 121 |
| ソフトレーザー脱離法 | 33 | 定量プロテオミクス | | ナトリウムイオン | 29 |
| _L /- | | 定量分析 | | ナノLC | 31 |
| た行 | | 定量法 | 250 | ナノ液体クロマトグラフ | イータンデム質 |
| | | データ解析 13 | , 165, 171 | 量分析 | 318 |
| ターゲットプロテオミクス | 39 | データジャーナル | 330 | 難溶性タンパク質 | 159 |
| ターゲット分析12, 227, | | データ非依存的解析 | 320 | ニーマンピック病C型 | 81 |
| 体液 | | データベース | 332 | におい | 119 |
| 大気 | | データリポジトリ | 328 | 二次元電気泳動 | 140 |
| 大気圧化学イオン化 | | デオキシコール酸ナトリウム … | 148 | 日内日間再現性試験 | |
| 大気圧光イオン化・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・ | | 添加剤 | | 尿 | |
| 代謝物 | | 添加試料 | 231 | <u> </u> | |
| 代謝物検索 | | 電子イオン化法 | | ^{水ボ} 尿バイオマーカー ········ | |
| 代謝フラックス解析・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・ | | 電子移動解離 | | 内部標準ペプチド | |
| 代謝フラックス分布・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・ | | 電子捕獲解離 | | ネガディブ | |
| 堆積物 | | 電動撹拌機 | | | |
| | | 電場 | | ネガティブイオンモート | |
| 代表試料 | | 同位体 | | 熱分解ガスクロマトグラ | |
| 多検体 | | 同位体標識パターン | | 法 | |
| 多重反応モニタリング | | 凍結乾燥処理 | | ネブライザー | |
| 脱アミド化 | | | | 濃縮 | |
| 脱色操作 | | 糖鎖(修飾) | | 農薬 | - / |
| 脱プロトン化分子 | | 同時定量 | | ノンターゲット分析(解 | |
| 脱溶媒ネブライザー | | 同重体干涉 | | 12, 1 | 10, 243, 344, 349 |
| 脱リン酸化部位の同定 | 172 | 同定 | | 11.2- | |
| 妥当性評価 | | 等電点電気泳動 | | は行 | • |
| 短時間(測定) | 250, 256 | 糖の結合位置 | | | |
| 胆汁 | 90 | 動物細胞 | 111 | パーシャルバリデーショ | ン ······· 230 |
| タンデム質量分析 | 322 | 動物用医薬品 | 225 | パーフルオロオクタン酸 | |
| タンデム質量分析計(装置) | 36, 218 | 糖ペプチド | 342 | パーフルオロオクタンス | |
| タンパク質 14. | 271, 293 | 糖リン酸 | 107 | バイアス | |
| タンパク質(間)相互作用 | | ドーピング検査 | 349 | 配位子交換クロマトグラ | |
| | 195 293 | 特異性 | 175 | バイオ医薬品・・・・・・・ | |
| タンパク質絶対量 | | 特性解析 | | | |
| タンパク質染色色素 | | 土壌調査 | | バイオマーカー ·············· ハイスループット········ | |
| タンパク質定量 | | トップダウン | | | |
| タンパク質同定 | . , | トップダウン型 | | ハイフネーテッド法 | |
| | | トップダウンプロテオミクス | 510 | 培養細胞 | |
| タンパク質発現量 | | ······································ | 310 324 | パイロットスタディ | |
| タンパク質複合体 | | | | バクテリア | |
| タンパク質末端ペプチド | | ドデシル硫酸ナトリウム | | 曝露媒体 | |
| タンパク質末端ペプチド濃縮法 | | トライブリッド型質量分析計・ | | 発現差異解析 | |
| チオ尿素 | 306 | トランジション | 1// | パルス紫外レーザー | 271 |

| ピーズ 破 幹法 | 243 107 245 345 306, 311 200, 247 338 213 214 217 |
|--|---|
| アスティン | 243 107 245 345 306, 311 200, 247 338 213 214 217 217 |
| 非悪元ペアチドマップ法 338 法医学 251、348 操令位置 93 有機方映物質 有機で動質 74 機で 261 (18 を) 27 | 243 107 245 345 306, 311 200, 247 338 213 214 217 217 |
| 飛行時間型 12, 19, 33, 38 抱合位置 93 有機汚染物質 有機酸 12, 19, 33, 38 抱合位置 93 有機物質 42, 272 放電 95 放電 926, 240 有機物質 46, 105, 258 ボトスァップ 36 | 243 107 245 345 306, 311 200, 247 338 213 214 217 217 |
| 飛行時間関 | 243 107 245 345 306, 311 200, 247 338 213 214 217 217 |
| 飛行時間質量分析計 272 抱合代謝物 93 | 107 245 345 306, 311 200, 247 338 213 214 217 |
| #スペクトル干渉 | 245 345 306, 311 200, 247 338 213 214 217 |
| 機生物迅速同定 258 ボジティブイオンモード 13, 19, 27, 35 有機フッ素化合物 有機溶球沈殿(法) 機生物同定システム 258 ボトムアップ 36 治導体化 26, 105, 26 治導体化 26, 105, 26 治職難難測定 26, 105, 26 治職難難測定 27 26 治事体化 26, 105, 26 治職難難測定 26 26, 105, 26 近離難難測定 27 26 およんアップ型量分析 219 27 | 345 306, 311 200, 247 338 213 214 217 |
| 機生物同定 35 保存 36, 240 横性物同定システム 258 ボトムアップ型 36 護導体化 26, 105, 連離精調即定 ユビキチン化プロテオーム 208 ボトムアップ型質量分析 219 エビキチン化プロテオーム 310 遊離精調即定 ユビキチン化プロテオーム解析 279 ボリンメチルシロキサン 119 エビキチン化プロテオーム解析 273 ボリスチレン 273 ボリブロピレン 273 ボリスチレン 273 ボリスチレン 273 ボリンマー 271 ボリマー 271 ボリマー 271 ボルンマリン間定パラフィン包埋された試 海融波分分析 305 監費管理 338、342 オードアレイ 87 マイクロボア LC 31 関身シバク質 マススペクトル身 35, 322, 338 ま行 マイクロボア LC 31 関身シバク質 マススペクトル身 35, 300 フォールディング 300 フォールディングラウン 33, 271, 272, 273 マトリックス 33, 271, 272, 273 マトリックス 2接レーザー脱離イオン化 フラグション 295 マトリックス 2接レーザー脱離イオン化 リボシーム 271 硫酸 35, 360 マトリックス 2接レーザー脱離イオン化 リボシーム 271 ペート・フラグメントイオン 322 質量分析法 271 マトリックス 2接レーザー脱離イオン化 明視媒性分子 19規性分子 | 306, 311 200, 247 ····· 338 ···· 213 ···· 214 ···· 217 ···· 217 |
| 微生物同定システム 258 ボトムアップ 36 誘導体化 26, 105, 遊離糖鎖測定 ヒト由来のタンパク質の混入 145 ボトムアップ型 310 遊離糖鎖測定 上半チン化プロテオーム 近半チン化プロテオーム 近半チン化プロテオーム 近半キナン化プロテオーム 近半キナン化プリテオーム解析 近半キナン化プリテオーム解析 近半キナン化プリテオーム解析 近半キナン化プリテオーム解析 近半キナンローが 近半キナン化プブチド濃縮 近半キナンロード 近半キナンロペプチ・洗練 近半キナンロード 近半キナンローバ 近半キナンローバ 近半キナンロード 近半キナンローバ 近半キナンローバ 近半キナンロード 近半キナンロード 近半キナンローバ 近半キナンローバ 近半キナンローバ 近半キナンローバ 近半キナンローバ 近半キナンロード 近半キナンロード 近半キナンロード 近半キナンローボーム 溶融のり連絡が定量 近半キナンローボー 溶融のが対的で 変融の連絡 カープリーナーチー 溶融のが対的 変換の連絡 カープリーナール 変しアーバーリー・アルーナー 変しアーバーリー・アルーナー カープリー・アルーナー カープリー・アルーナー< | 200, 247 ···· 338 ···· 213 ···· 214 ···· 217 |
| とト由来のタンパク質の混入 145 ボトムアップ型質量分析 219 ユビキチン化プロテオーム 非標識 161 ボトムアップ型質量分析 219 ユビキチン化プロテオーム でペットチップ型カラム 208 ボトムアップ型のテオミクス 36 費用 298 ボリアクリルアミドゲル電気泳動 140 標準菌株 259 ボリズチレン 273 ユビキチン化ペプチド続製 標準流料 18 ボリブロピレン 273 ユビキチンコード 標準流列法 50,121 ボリッタクリル酸メチル 273 エビキチン銀の連結タイプ 標準流列法 50,121 ボリスタクリル酸メチル 273 おルマリン固定パラフィン包埋された試料 溶離シリカ管 変しま 305 動訳後修飾解析(評価) 35,322,338 おのでリングーンションを接近りか管 オーカスドメタボローム解析法 82 おいたアリング質 153,300 フォールディング 88 フォールディング 350 フォールディング 87 マススペクトルライブラリ 344 イ膜性性 12 マススペクトルライブラリ オーム解析 ラベルアリーシングルショント ラジルル誘起解離 フォールディング 236 マトリックス効果 オーム解析 オーム解析 オーム解析 オーム解析 オーム解析 オーム解析 オームア・リックスをリールー・リーン・アート リニアモード リニアモード <td< td=""><td>338 213 214 217 217</td></td<> | 338 213 214 217 217 |
| 非標識 161 ボトムアップ型質量分析 219 ユビキチン化プロテオーム 208 ボトムアッププロテオミクス 36 コビネテン化プブテオーム 219 ボトムアッププロテオミクス 36 コビキチン化プロテオーム 219 ボリンクリルアミドゲル電気泳動 140 ユビキチン化ペプチド精製 219 オリジメチルシロキサン 119 ユビキチン化ペプチド精製 219 オリンスチレン 273 ユビキチンロペプチド機縮 219 オリンスチレン 273 ユビキチンロード 211 オリスターリル酸メチル 273 溶融シリカ管 212 オームアリン協定パラフィン包埋された試 数量成分分析 305 料 153 初の 215 カスドメタボローム解析法 82 フィンガーブリント法 258 フーリエ変換型 38 フィーカスドメタボローム解析法 82 マイクロボアLC 31 膜タンパク質 153, 300 マススペクトルライブラリ 344 アイア単発性 12 マスフィルター 17 マトリックス 33, 271, 272, 273 カル島 296 オーム解析 293 ボトリックス 33, 271, 272, 273 カル島が構造 256 フラグメントイオン 322 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 質量分析法 271 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 両親媒性分子 | 213 214 217 217 |
| ピペットチップ型カラム 208 ボトムアッププロテオミクス 36 コビキチン化ププロテオーム解析 費用 298 ボリアクリルアミドゲル電気泳動 140 コビキチン化ペプチド精製 標準直棒 259 ボリズチレン 273 コビキチン化ペプチド機 標準流射 18 ボリブロビレン 237 コビキチン20ード 標準流射 18 ボリブロビレン 237 ユビキチン30の連結タイプ 標準流放 73 ボリメタクリル酸メチル 273 溶離シリカ管 設置人分析 305 料 153 出質管理 338, 342 おルマリン固定パラフィン包埋された試 海離液グラジエント 変しな分析 153 新訳後修飾解析 (評価) 35, 322, 338 ま行 マイクロボアLC 31 フォールディング 300 マスクロボアLC 31 フォールディング 300 マススペクトル集 ラウンドロビシテスト フォトダイオードアレイ 87 マススペクトルライブラリ 344 大りックス効果 フィルター フィルター フィルター フィルター フィル解析 フミンカルラングルショット フェンクトリーシングルショット フェンクトリックス効果 フェンクトリックス支援レーザー脱離イオン化 フェアモード フェアモード フェアモード リボットリックスクパク質 35 フェア・リックスクパク質 35 でトリックス支援レーザー脱離イオン化 で、リックスクスクトククイク質 で、リックスクイク質 | ···· 214 ···· 217 ···· 217 |
| 費用 298 ボリアクリルアミドゲル電気泳動 140 ユビキチン化ペプチド精製 標準直株 259 ボリスチレン 119 ユビキチン化ペプチド機縮 標準作業手順書 229 ボリスチレン 273 ユビキチンコード 標準流加法 18 ボリプロピレン 271 ユビキチン頭の連結タイプ 標準溶液 73 ボリメタクリル酸メチル 273 五ビキチン頭の連結タイプ 機量直接 50, 121 ボリマー 271 五ビキチン頭の連結タイプ 標準溶液 73 ボリメタクリル酸メチル 273 五ビキチン頭の連結タイプ 溶離シリカ管 おルマリン固定パラフィン包埋された試 溶離 カリカ管 溶離 シリカ管 おしかプリント法 258 ま行 ライプラリエト フィンガーブリント法 258 ま行 ライプラリーフリーサーチ フィンガーブリント法 258 ま行 ラウンドロビンテスト フィールディング 300 アイクロボアLC 31 膜タンパク質 153, 300 マスペクトル集 ラウンドロビンテスト フィルター 350 フリンドロビンテスト ラジカル誘起解離 マスペックトルライブラリ 344 オーム解析 フリングルショット 被手を 29 オトリックス フリキッドハンドリングルション フェン アリックス 29 イ、49, 77, 83, 134 フェン フェート <td>···· 217 ···· 217</td> | ···· 217 ···· 217 |
| 標準菌株 259 ポリジメチルシロキサン 119 ユビキチン化ペプチド濃縮 229 ポリスチレン 273 福準試料 18 ポリプロビレン 237 ユビキチン頭絶対定量 ユビキチン頭の連結タイプ 溶融シリカ管 溶離液グ分析 305 料 153 翻訳後修飾解析 (評価) 35, 322, 338 おイーリング 258 フーリエ変換型 38 ブーリング 88 フォーカスドメタボローム解析法 82 フォールディング 300 フォトダイオードアレイ 87 マススペクトル集 350 フォトダイオードアレイ 87 マススペクトル集 350 マススペクトル集 350 マススペクトル 350 マススペクロ 350 マススペクトル 350 マススペクイル 350 マススペクトル 350 マススペクイグ 350 マススペクトル 350 マス | 217 |
| 標準作業手順書 229 ポリスチレン 273 コビキチンコード 224 ポリプロピレン 237 コビキチン鎖絶対定量 ユビキチン鎖の連結タイプ 溶融シリカ管 溶離液グラジエント 微量式分分析 305 料 153 翻訳後修飾解析 (評価) 35, 322, 338 おしてラウント 258 フーリエ変換型 38 ブーリング 88 フォーカスドメタボローム解析法 82 フォールディング 300 フォトダイオードアレイ 87 マススペクトル集 350 付加イオン 29 マススペクトルライブラリ 344 マスフィルター 17 複合体解析 (法) 293 滞危 236 常分構造 236 常分構造 256 フラグメントーユ 20 フラグメンテーション 295 フラグメントイオン 322 ブラズマガス 41, 45 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 質量分析法 27 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 質量分析法 27 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 質量分析法 27 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 両親媒性分子 | |
| 標準試料 18 ボリプロピレン 237 ユビキチン鎮絶対定量 ユビキチン鎖の連結タイプ で離率溶液 73 ボリメタクリル酸メチル 273 溶融シリカ管 溶離液グラジエント 微量成分分析 305 料 153 翻訳後修飾解析(評価) 35, 322, 338 5行 フィンガーブリント法 258 フィーカスドメタボローム解析法 82 フォールディング 300 膜タンパク質 25, 300 フォトダイオードアレイ 87 マススペクトル集 350 付加イオン 29 マススペクトル身イブラリ 344 アルア・デアレイ 87 マススペクトル身イブラリ 344 アルデ化 29 マススペクトルライブラリ 344 アルデイング 29 マススペクトルライブラリ 344 アルデイング 29 マススペクトルライブラリ 344 アルデイング 29 マススペクトルライブラリ 344 アルティング 29 マススペクトルライブラリ 344 アルデルコシン酸ナトリア・ディーム解析 293 アトリックス 33, 271, 272, 273 マトリックス 38, 271, 272, 273 マトリックス 37, 41, 45 アラグメントイオン 322 アールタース支援レーザー脱離イオン化 質量分析法 271 アルタムタンパク質 35, 硫酸 両親媒性分子 | 212 222 |
| 標準溶液 73 ポリメタクリル酸メチル 273 溶融シリカ管 溶離をグラジエント 微量 成分分析 305 料 153 翻訳後修飾解析(評価) 35, 322, 338 | |
| 標準溶液 | |
| 微量元素 41 | |
| 微量成分分析 305 料 153 品質管理 338, 342 翻訳後修飾解析 (評価) 35, 322, 338 フィンガープリント法 258 フーリエ変換型 38 ま行 フォーカスドメタボローム解析法 82 マイクロボア LC 31 フォールディング 300 膜タンパク質 153, 300 ラウンドロビンテスト フォトダイオードアレイ 87 マススペクトル集 350 ラジカル誘起解離 ラジカル誘起解離 サーム解析 イ加イオン 29 マススペクトルライブラリ 344 オーム解析 ラミン ルルフリーシングルショットで オーム解析 ラミン リキッドハンドリングシステム フラベルフリーシングルショットで フラベルフリーシングルショットで フラベルフリーシングルショットで フラミン リキッドハンドリングシステム フラミン リキッドハンドリングシステム フラミン リキッドハンドリングシステム リニアモード リアモード リアレクトロンモード リボジトリ リボソームタンパク質 35, 金銭 フラグメントイオン 322 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リボソームタンパク質 35, 金銭 本トリックス支援レーザー脱離イオン化 リボソームタンパク質 35, 金銭 本トリックス支援レーザー脱離イオン化 町親媒性分子 一級機 一級機 一級機 一級機 カールテード カールディン・リアントン・カール フラン・カール・カール フラン・カール フラン・カール フラン・カール フラン・カール フラン・カール フラン・カール フラン・カール | |
| 品質管理 338, 342 | 28 |
| フィンガーブリント法 258 フーリエ変換型 38 プーリング 88 フォーカスドメタボローム解析法 82 フォールディング 300 フォトダイオードアレイ 87 付加イオン 29 不揮発性 12 複合体解析(法) 293 沸点 236 部分構造 55 フライトチューブ 20 フラグメンテーション 295 フラグメントイオン 322 プラグメントイオン 322 プラズマガス 41, 45 **P・リックス支援レーザー脱離イオン化 可親媒性分子 **P・リックス支援レーザー脱離イオン化 可親媒性分子 | |
| フーリング 88 フォーカスドメタボローム解析法 82 フォールディング 300 フォトダイオードアレイ 87 マススペクトル集 350 付加イオン 29 不揮発性 12 複合体解析(法) 293 沸点 236 お分構造 55 フライトチューブ 20 フラグメンテーション 295 フラグメントイオン 322 ブラズマガス 41, 45 また ライブラリーフリーサーチ マイクロボア LC 31 原タンパク質 350 マススペクトル集 350 マスフィルター 17 マトリックス 33, 271, 272, 273 ラミン MP リキッドハンドリングシステム リキッドハンドリングシステム リニアモード リフレクトロンモード リプジトリングトロンモード リボジトリ リボソームタンパク質 35, マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リボソームタンパク質 35, でトリックス支援レーザー脱離イオン化 リボソームタンパク質 一級機 アトリックス支援レーザー脱離イオン化 両親媒性分子 「一規解性分子 アトリックス支援レーザー脱離イオン化 両親媒性分子 | |
| プーリング 88 フォーカスドメタボローム解析法 82 フォールディング 300 膜タンパク質 153,300 ラウンドロビンテスト ラジカル誘起解離 ラベルフリーシングルショットで オーム解析 29 不揮発性 12 マスフィルター 17 オーム解析 350 ラジカル誘起解離 ラベルフリーシングルショットで オーム解析 293 マトリックス 33,271,272,273 マトリックス効果 リキッドハンドリングシステム 37ライトチューブ 20 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 フラグション 295 フラグメントイオン 322 質量分析法 27リックス支援レーザー脱離イオン化 可親媒性分子 19親媒性分子 | |
| フォーカスドメタボローム解析法 82 マイクロボアLC 31 フォールディング 300 膜タンパク質 153, 300 ラウンドロビンテスト フォトダイオードアレイ 87 マススペクトル集 350 ラヴンドロビンテスト 付加イオン 29 マススペクトルライブラリ 344 ラベルフリーシングルショットで 複合体解析(法) 293 マトリックス 33, 271, 272, 273 ラミン 沸点 236 マトリックス効果 リキッドハンドリングシステム フライトチュープ 20 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リフレクトロンモード フラグメンテーション 322 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リボソームタンパク質 35, フラグメントイオン 322 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リボソームタンパク質 35, ブラズマガス 41, 45 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 両親媒性分子 | |
| フォールディング 300 膜タンパク質 153,300 ラウンドロビンテスト フォトダイオードアレイ 87 マススペクトル集 350 ラジカル誘起解離 付加イオン 29 マススペクトルライブラリ 344 ラベルフリーシングルショットで 水運発性 12 マスフィルター 17 オーム解析 複合体解析(法) 293 マトリックス 33, 271, 272, 273 ラミン 部分構造 55 29, 47, 49, 77, 83, 134 リニアモード フライトチュープ 20 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リプレクトロンモード フラグメンテーション 322 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リボソームタンパク質 35, フラグメントイオン 322 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リボソームタンパク質 35, プラズマガス 41, 45 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 両親媒性分子 | |
| フォトダイオードアレイ 87 マススペクトル集 350 ラジカル誘起解離 付加イオン 29 マススペクトルライブラリ 344 ラベルフリーシングルショットでは、ア連発性 複合体解析(法) 293 マトリックス 33, 271, 272, 273 ラミン 沸点 236 マトリックス効果 リキッドハンドリングシステム ガライトチューブ 20 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リフレクトロンモード フラグメンテーション 322 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リボソームタンパク質 35, フラグメントイオン 322 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リボソームタンパク質 35, プラズマガス 41, 45 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 両親媒性分子 | |
| 付加イオン 29 マススペクトルライブラリ 344 ラベルフリーシングルショットで オーム解析 不揮発性 12 マスフィルター 17 オーム解析 オーム解析 ラミン カーム解析 リキッドハンドリングシステム フランカルショットで オーム解析 フラン フランカルショットで オーム解析 フラン フランカルショットで オーム解析 フラン フラン フランカルショットで オーム解析 フラン フラン フランカルンドリングシステム フラン フランカルンドリングシステム フラン フラン ファムを接レーザー脱離イオン化 フェアモード ファインカーン ファムを接レーザー脱離イオン化 ファインカーン ファムカーの ファ | |
| 不揮発性 12 マスフィルター 17 オーム解析 複合体解析(法) 293 マトリックス 33, 271, 272, 273 ラミン 沸点 236 マトリックス効果 リキッドハンドリングシステム ガライトチューブ 20 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リフレクトロンモード フラグション 295 33 リボジトリ フラグメンテーション 322 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リボソームタンパク質 35, フラグメントイオン 322 宮量分析法 271 硫酸 プラズマガス 41, 45 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 両親媒性分子 | - , |
| 複合体解析(法) 293 マトリックス 33, 271, 272, 273 ラミン リキッドハンドリングシステム アトリックス効果 リキッドハンドリングシステム アライトチューブ 20 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リフレクトロンモード フラグメンテーション 322 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リボソームタンパク質 35, フラグメントイオン 322 質量分析法 271 硫酸 両親媒性分子 | |
| 沸点 236 マトリックス効果 リキッドハンドリングシステム 部分構造 55 29, 47, 49, 77, 83, 134 リニアモード フライトチューブ 20 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リフレクトロンモード フラグメンテーション 322 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リボソームタンパク質 35, フラグメントイオン 322 質量分析法 271 硫酸 プラズマガス 41, 45 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 両親媒性分子 | |
| 部分構造 55 29, 47, 49, 77, 83, 134 リニアモード フライトチューブ 20 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リフレクトロンモード フラグション 295 33 リポジトリ フラグメンテーション 322 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リボソームタンパク質 35, フラグメントイオン 322 質量分析法 271 硫酸 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 両親媒性分子 | |
| フライトチューブ 20 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リフレクトロンモード フラクション 295 33 リポジトリ フラグメンテーション 322 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リボソームタンパク質 35, フラグメントイオン 322 質量分析法 271 硫酸 プラズマガス 41, 45 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 両親媒性分子 | |
| フラクション 295 33 リポジトリ フラグメンテーション 322 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リボソームタンパク質 35, フラグメントイオン 322 質量分析法 271 硫酸 プラズマガス 41, 45 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 両親媒性分子 | |
| フラグメンテーション 322 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 リボソームタンパク質 35, フラグメントイオン 322 質量分析法 271 硫酸 プラズマガス 41, 45 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 両親媒性分子 | |
| フラグメントイオン 322 質量分析法 271 硫酸 7カラグマガス 41, 45 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 両親媒性分子 | |
| プラズマガス 41,45 マトリックス支援レーザー脱離イオン化 両親媒性分子 | |
| 阿税殊压力 1 | |
| | |
| フラボノイド類 | |
| マルバルボーン・スケー・ファン・ファン・ファン・ファン・ファン・ファン・ファン・ファン・ファン・ファン | |
| プレミックフナ 262 スチール 2 | |
| 7 / 2 / 2 | |
| プロダクトイオン 18 未知試料 (成分) 12,50 リン酸化部位の定量 7 フロダクトイオンスペクトル 密度勾配遠心分離 295 リン酸化プロデオー 2 解析 | |
| | 200 |
| | |
| プロッキング | , |
| | |
| 面//个/尺/P | |
| プロテオフォーム 310 メタノール 28, 31, 247 臨床バイオマーカー 37 37 37 37 37 37 37 37 37 37 37 37 37 | |
| プロテオミクス | |
| 15, 22 V4±V-917 | |
| 分岐型高周波イオントラップ ····· 324 メモリー効果 44 レトロネーザルアロマ ···· 45 ロー・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・ | |
| 分析法バリデーション | |
| 併行精度 232 免疫沈降 140, 201 ローテートの時間 170 たけいた 55 15 15 15 15 15 15 15 15 15 15 15 15 | 188 |
| ヘッドスペースガス·································· | |
| ヘッドスペース固相マイクロ抽出 ··· 120 メンテナンス ···················· 16, 287 わ行 | |
| ペプシンカラム | |
| ペプチド | |