

# 索引

## INDEX

### 数字

2 群間比較 ..... 197  
16S rRNA ..... 11, 19, 23, 43, 64, 111  
18S rRNA ..... 101

### 欧文

#### A~C

*Actinomyces* ..... 128  
*Anaerostipes hadrus* ..... 104  
ANI (average nucleotide identity) ..... 19, 24, 165  
ARDB (Antibiotic Resistance Genes Database) ..... 19  
ASV (amplicon sequence variant) ..... 66  
 $\alpha$  多様性 ..... 31, 68  
*Bacteroides* ..... 177  
*Bacteroides thetaiotaomicron* ..... 104  
*Bifidobacteria* ..... 181  
*Bifidobacterium* ..... 101, 177  
binning ..... 72, 133, 141  
BLAST ..... 23  
*Blautia* ..... 101, 177  
*Blautia obeum* ..... 104  
BMTagger ..... 60  
Bowtie2 ..... 103  
 $\beta$ -Proteobacteria ..... 110  
 $\beta$  多様性 ..... 31, 68  
call rate ..... 186  
*Candida albicans* ..... 101  
*Candidatus* ..... 27  
CARD (Comprehensive Antibiotic Resistance Database) ..... 19  
Caudovirales ..... 81  
CAZy ..... 19  
CE-MS ..... 93  
*Clostridioides difficile* ..... 83  
*Clostridium* ..... 177  
COG (Clusters of Orthologous Groups) ..... 19  
*Collinsella* ..... 181  
contig ..... 71, 79, 132, 141  
CORRAL ..... 102  
*Corynebacterium* ..... 86, 109  
crAss-like phage ..... 79  
CRISPR (clustered regularly interspaced short palindromic repeats) 配列 ..... 81

*Cutibacterium* ..... 109  
*Cutibacterium acnes* ..... 113, 168

#### D~F

DADA2 ..... 66  
DDH (DNA-DNA hybridization) ..... 24  
*Debaryomyces hansenii* ..... 103  
DNA 断片化 ..... 45  
DNA 抽出 ..... 136, 157  
DNA 抽出法 ..... 12, 30, 62, 125  
DNA モック標品 ..... 58  
DNA ロス ..... 50  
DRA (DDBJ Sequence Read Archive) ..... 18  
dysbiosis ..... 12, 75, 101, 117  
eggNOG (evolutionary genealogy of genes: Non-supervised Orthologous Groups) ..... 19  
EMBERS ..... 20  
ENA (European Nucleotide Archive) ..... 18  
*Enterococcus* ..... 85  
ENVO (Environment Ontology) ..... 18  
*Escherichia coli* ..... 104, 119  
*Eubacterium ventriosum* ..... 104  
EukDetect ..... 102  
*Exophiala mesophila* ..... 103  
EzBioCloud ..... 23  
*Faecalibacterium* ..... 180  
fastp ..... 59  
FastQC ..... 59  
Flavobacteriales ..... 110  
*Fusicatenibacter saccharivorans* ..... 104

#### G~I

GC-MS ..... 91  
genotype imputation ..... 188  
GLM (genome language model) ..... 20  
GRCh38 ..... 60  
Greengenes2 ..... 19, 67  
GTDB (Genome Taxonomy Database) ..... 19, 27, 73  
GVHD (graft-versus-host disease) ..... 85  
GWAS ..... 184  
*Haemophilus* ..... 110  
*Haemophilus influenzae* ..... 120  
HWE (Hardy-Weinberg 平衡) ..... 187  
ICNP (International Code of Nomenclature of Prokaryotes) ..... 25  
ICSP (International Committee on

Systematics of Prokaryotes) ..... 22  
IHMC ..... 8  
IHMS (International Human Microbiome Standards) ..... 31  
IMG/M (Integrated Microbial Genomes & Microbiomes) ..... 19  
Inocle ..... 140  
IPW (inverse probability weighting) ..... 196  
IS (insertion sequence) ..... 142  
ITS (internal transcribed spacer) ..... 19, 101, 113

#### J~L

Japanese 4D (Disease Drug Diet Daily life) マイクロバイオーム コHORT ..... 103, 192  
JGI.0.0b ..... 60  
KEGG (Kyoto Encyclopedia of Genes and Genomes) ..... 19  
k-mer 組成 ..... 67  
*Lactobacillus* ..... 177  
LA 法 ..... 31  
LCA (least common ancestor) ..... 166  
LC-MS ..... 92  
LLM (large language models) ..... 20

#### M~O

MaAsLin2 ..... 103  
MAG (metagenome-assembled genome) ..... 19, 72, 133, 141  
*Malassezia* ..... 101, 110  
MDA (multiple displacement amplification) ..... 79, 148  
MEGARes (Microbial Ecology Group Antimicrobial Resistance Database) ..... 19  
MEO (Metagenome/Microbes Environmental Ontology) ..... 18  
MetaCyc ..... 19  
MetaSPAdes ..... 79  
MGnify ..... 19  
MicrobeDB.jp ..... 20  
MicrobiomeDatahub ..... 20  
*Micrococcus* ..... 109  
Microviridae ..... 81  
MIMAG (minimum information about a metagenome assembled genome) ..... 18  
MIMARKS (minimum information about a marker gene sequence) ..... 18  
minimap2 ..... 103

MixS (minimum information about any (x) sequence) .....	17
<i>Moraxella</i> .....	110
mOTUs .....	103
MS-DIAL .....	93
MTA (Material Transfer Agreement) .....	23
<i>Neisseria</i> .....	110, 128
NMR .....	93
NovaSeq .....	124
OTU (operational taxonomic unit) .....	66
Oxford Nanopore .....	126

## P~R

PCA .....	96
PCR キメラ配列 .....	66
Pfam .....	19
Phase variation .....	119
PI-HAT (proportion of IBD(identity by descent)heterozygosity alleles total) .....	187
PLINK .....	186
<i>Porphyromonas</i> .....	128
PPI (proton-pump inhibitor) .....	195
preNuc 法 .....	136
<i>Prevotella</i> .....	128, 177
PromethION .....	126
Protocol_N .....	32
Protocol_P .....	32
Protocol_Q .....	32
Protologger .....	25
QIIME2 .....	66
RCT .....	192
RNAlater .....	31
<i>Roseburia</i> .....	101, 180
<i>Rothia</i> .....	128
<i>rpoB</i> .....	111
<i>Ruminococcus</i> .....	101, 177
<i>Ruminococcus bromii</i> .....	104

## S~V

<i>Saccharomyces cerevisiae</i> .....	101
<i>Saccharomyces kudriavzevii</i> .....	103
<i>Saccharomyces paradoxus</i> .....	103
SACRA (Split Amplified Chimeric Read Algorithm) .....	151
<i>Schaalia</i> .....	130
SeqCode .....	27
sequence abundance .....	128
SFB (segmented filamentous bacteria) .....	181
shearing 酵素 .....	121
SILVA .....	19, 67

SNP (single nucleotide polymorphism) .....	184
SNP マイクロアレイ .....	186
SRA (Sequence Read Archive) .....	18
<i>Staphylococcus</i> .....	109
<i>Staphylococcus aureus</i> .....	111
<i>Staphylococcus hominis</i> .....	86
<i>Streptococcus</i> .....	128, 146
<i>Streptococcus pneumoniae</i> .....	120
taxaTarget .....	102
taxonomic abundance .....	128
TMM (trimmed mean of M-values) .....	71
TPM (transcripts per million) .....	71
<i>Turicella</i> .....	110
UBERON (Uber-anatomy Ontology) .....	18
UDG (Uracil-DNA Glycosylase) 処理 .....	160
UNITE .....	19
<i>Veillonella</i> .....	130
VirFinder .....	79
VirSorter .....	79
VLP (virus-like particle) .....	144

## 和文

### あ行

アクロモベチダーゼ .....	31
アセンブリ .....	140
アダプターダイマー .....	162
アダプターライゲーション .....	54
アトピー性皮膚炎 .....	116
アミノ酸 .....	91
アライメント .....	165
アレル頻度 .....	187
安定同位体 .....	97
アンブリコン解析 .....	19, 64
移植片対宿主病 .....	85
一塩基多型 .....	184
一次代謝物 .....	91
遺伝子機能組成 .....	68
遺伝要因 .....	14
因果関係 .....	13
因果推論 .....	191
インサートサイズ .....	58
インデックス PCR .....	161
エラー補正 .....	132
炎症性腸疾患 .....	101
エンドライシン .....	83
横断研究 .....	191
オントロジー .....	20

## か行

外注 .....	124
介入試験 .....	12
潰瘍性大腸炎 .....	101
化学法 .....	30
学名 .....	26
カルチャーコレクション .....	23
環境細菌由来 DNA .....	111
環境要因 .....	14
完全ゲノム配列 .....	73
乾燥保存法 .....	179
寒天平板培地 .....	175
関連解析 .....	198
機械学習モデル .....	199
技術誤差 .....	31
擬似ランダム化 .....	196
寄託 .....	25
キメラ検出 .....	66
キメラ配列 .....	151
逆確率重み付け .....	196
夾雑物 .....	92
共生代謝 .....	90
共生病原菌 .....	75
極性分子 .....	92
距離行列 .....	198
近縁関係 .....	186
菌種組成 .....	128
菌体モック標品 .....	43
クオラムセンシング .....	119
クオリティコントロール .....	186
クオリティチェック .....	66
クラスターリング .....	187
グラム陰性菌 .....	128
グラム染色 .....	177
くり返し精度 .....	43
クロール病 .....	101
群集構造解析 .....	16
蛍光活性化セルソーター .....	32
継代培養 .....	177
系統組成 .....	64
系統特異的マーカー遺伝子 .....	71
ゲノム言語モデル .....	20
ゲノムワイド関連解析 .....	184
嫌気チャンバー .....	173
嫌気培養 .....	173
口腔 .....	102, 123, 135
酵素法 .....	30, 125
交絡因子 .....	11, 191
国際塩基配列データベース共同体 .....	18
国際原核生物分類命名委員会 .....	22
国際原核生物命名規約 .....	25
国際ヒトマイクロバイオーム コンソーシアム .....	8

古代DNA	153
固定化処理	42
コロニー形成	175
コンタミ	13, 126
コンタミネーション	
.....	42, 102, 111, 155
コンティグ	71, 79

## さ行

細胞形態	177
細胞溶解性	128
参照配列データベース	66
サンプリングバイアス	113
ジェノタイプ頻度	187
脂質	93, 108
疾患関連因子	193
質量分析計	88
縦断研究	192
宿主因子	193
宿主・生活様式	11
宿主表現型	11
主成分分析	96, 187
症例対照研究	191
ショートリードシーケンサー	64
ショットガンシーケンシング	38
ショットガンシーケンス	160
ショットガンメタゲノム解析	
.....	68, 103, 118, 124
真菌	19, 110
新種提案	24
スクリーニング	83
スチールウール法	173
スワブ	112, 131
生活習慣因子	193
生残率	179
精度管理	43
生物遺伝資源提供同意書	23
セル・モックコミュニティ	32
線形回帰	189
全ゲノム比較解析	119
選択培地	172
相関解析	197
相関関係	95
相対存在量	79
相同性解析	81
層別化	196

## た行

ターゲットキャプチャ	169
大規模言語モデル	20
胎児	13
代謝物	88
唾液	136
多剤耐性菌	82

多変量解析モデル	195
短鎖脂肪酸	13, 91
短鎖脂肪酸産生菌	104
断片長	44
デアミネーション	153
データ駆動型研究	8
データベース	16
テープストリッピング	112
デブリネーション	154
凍結感受性	179
凍結標品	180
凍結保存法	178
統合解析	97
トランスロケーション	13
トリミング	164

## な行

難培養性細菌	175
ネガコン実験	14
ノトバイオートマウス	13

## は行

バイオマーカー	95, 116
配列の冗長性排除	66
配列類似性検索	67
バクテリオファージ	75, 123, 135
パンゲノム解析	133
ビーズ法	30
ビーティング	39
比較メタゲノム解析	17
微生物群集構造	38
微生物負荷量	195
非選択培地	172
ビタミン類	93
ヒトゲノム解読	8
ヒトゲノム由来DNA	136
ヒト由来リード	126
皮膚	14, 102
皮膚常在菌	86
病原性探索	119
標準物質	39, 91
表皮	108
ファージ	70
ファージ療法	75
フィルタリング	166, 187
プライマー	64
プラスミド	70, 135
プロトンポンプ阻害薬	195
プロファージ	81, 132
プロペンシティ・スコアマッチング	
.....	196
糞便	38, 76, 91, 103, 147
分類群	22
別種	24

ホールゲノムショットガン	8
保湿剤	116
ポリアミン	93

## ま行

マーカー遺伝子	102, 128
マイクロバイオーム	8
前向きコホート研究	191
マッチング	196
未培養細菌	27
未培養微生物	19
無菌マウス	180
命名	26
メタアナリシス	13
メタゲノム	81
メタゲノムアセンブル	71
メタゲノム解析	8, 16, 38, 135, 184
メタデータ	17, 97, 198
メタボロミクス	88
モック細菌群集	63

## や行

薬剤投与	193
ユニバーサルプライマー	64
溶菌酵素	83

## ら行

ライブラリサイズ	162
ライブラリ調製	44, 124, 160
リード長	64, 163
リードマッピング	70
リゾチーム	31
リポドミクス	88
リファレンスゲノム	102
類似度	145
連続塩基頻度	72
ロングリード	119
ロングリードシーケンサー	65
ロングリードシーケンシング	126
ロングリードシーケンス	135

## わ行

腋臭病	85
-----	----