

索引

■ 数字

1細胞1遺伝子摂動.....	51
1細胞CRISPRスクリーニング.....	78
5-layer フラスコ.....	105, 111, 113
5-Mar.....	147

■ A

α -RRA.....	75
A549細胞.....	153
Addgene.....	39
AlphaFold.....	228, 230
AML.....	147
anti-CRISPR.....	27
AsCas12a.....	27
ATAC-seq.....	172
ATAC-seq.....	258

■ B

B16F10細胞.....	164
base editor.....	24, 224, 226, 227
Benjamini-Hochberg 法.....	74
Brie ライブラリ.....	139, 140, 141

■ C

Calu-3細胞.....	153
Cancer Dependency Map.....	248
capacitation.....	214
Cas9.....	31
Cas9 ノックインマウス.....	210, 211
Cas9 レポーターアッセイ.....	87
Cas12a.....	23
Cas タンパク質.....	31
Cas トランスポゾン.....	25
cauda epididymis.....	215
Celligner.....	250
Chronos.....	78

CITE-seq.....	258
complexity.....	15
CRISPRa.....	28
CRISPR-Cas9.....	23, 225, 226, 230, 240
CRISPRcleanR.....	78
CRISPRi.....	28
CROP-seq.....	256
crRNA ライブラリ.....	246

■ D

Data Explorer.....	250
DAXX.....	156
dCas9.....	28
dependency.....	251
DepMap データの可視化.....	251
DepMap ポータル.....	249
direct-capture Perturb-seq.....	257
DMSO 処理.....	59
DNA 二本鎖切断.....	24
drugZ.....	147

■ E

ECCITE-seq.....	258
EM (expectation-maximization) アルゴリズム.....	77

■ F

FASTQ.....	202
FDR.....	74, 202
Fitness.....	56
Fitness スクリーニング.....	56, 104, 107

■ G

GI 解析.....	232, 237
good sgRNA.....	75
gRNA ライブラリ.....	31, 39, 90, 94
gRNA ライブラリウイルス.....	105

■ H

HiFiCas9.....	26
hiPSC [s].....	116, 117, 118

■ I

induced pluripotent stem cells.....	116
<i>in vivo</i> スクリーニング.....	192, 206

■ L

lentiGuide-TagBFP.....	219, 220
low complexity.....	67

■ M

MAGECK.....	71, 128, 147, 152
MAGECK MLE.....	71, 75
MAGECK RRA.....	71, 73
Maxi prep.....	100, 102
MED12.....	156
MED23.....	156
median ratio 法.....	73, 76
MegaX DH10B™ T1R.....	221
MHC I 欠損がん細胞.....	168
MIMOSCA.....	256
MOCK 感染.....	59
MOI.....	53, 200
Mouse CRISPR Knockout Pooled Library (GeCKO v2).....	208, 222

■ N

nCas9.....	27
NEBuilder® HiFi DNA Assembly	219, 220
NEBuilder Assembly.....	101, 102
NEPA Porator.....	221
NF2.....	156
NGS.....	201
NGS ライブラリ.....	64, 122

■ O

O-ClickFC	181
OMEGA	25
OVA 発現がん細胞	168

■ P

PAM	26
pCMV-SVF-P2A-VSVG- pRSV-REV	208
pegRNA	226
Perturb-seq	160, 256
piggyBac トランスポゾン	32, 259
Plzf 陽性	213
positive selection screen	227
Predictability	249
prime editor	24, 224, 226, 227
Puromycin	54

■ R

RENGE	78, 260
RNAi	23
RRA	74

■ S

SaCas9	26
SAM システム	29
scCRISPR	255
scMAGeCK	260
scRNA-seq	256
Sendai Virus Fusion (SVF) タンパク質	206, 207
sgRNA タイリング法	224, 228
sgRNA の濃縮	219
sgRNA 配列の読み出し	218
SpCas9	26
SpCas9-NG	26
Spermatogonia	209
SpRY	26
Stagger 配列	68
STARS 解析	202

■ T

TALEN	23
TIGR-Tas	25

transduction unit	53
TREE システム	29
two-vector system	139, 142
Type A Spermatogonia	209
T 細胞	167
T 細胞由来サイトカイン	169

■ U

Ube2j2	147
Ube2k	147

■ V

Venetoclax	143, 147
------------	----------

■ W

Wald 検定	77
---------	----

■ Z

ZFN	23
-----	----

■ あ

アジドコリン	181
アデノ随伴ウイルス	258
アポトーシス	112
アポトーシス誘導	109
アレイ型	240
アレイ型 gRNA ライブラリ	39

■ い

一般化線形モデル	76
遺伝学的相互作用	232
遺伝子コピー数	251
遺伝子制御ネットワーク	78, 259
遺伝子発現	251
インフレーション変異	225

■ う

ウイルスインジェクション	211
ウイルス感染	109
ウイルスタイトレーション	85

■ え

エピジェネティクス	171
エピジェネティック制御因子	157

エレクトロコンピテントセル	95, 99
エレクトロポレーション	90, 99, 102, 221
エレクトロポレーションの効率	222
塩基編集	230
エンドソーム	156
エンドソーム酸性化	160

■ お

オートファジー	160
オリゴプール	94, 96
オルガネラ選択的クリック反応	181
オルガノイド	35

■ か

開裂部位	156
核内輸送因子	160
確率モデル	75
カスタム解析	252
カスタムシークエンスプライマー	68
カスタムライブラリ	234
カバレッジ	17, 195
がん細胞株	248, 254
感受性	57
感受性亢進	109
感染効率	210
感染効率の測定	213
がん免疫療法	162
がん免疫療法感受性がん細胞	168

■ き

偽陰性	174
機能獲得型	151
機能性アミノ酸	226
機能喪失型	151
機能ドメイン	225, 231
機能ドメイン解析法	230
逆転写酵素	226
急性骨髄性白血病	147
急性白血病モデル	138
偽陽性	172

■ く

空間トランスクリプトーム	258
--------------	-----

クリックケミストリー.....	181
クローン数.....	222
クロマチン・アクセシビリティ.....	171

■ け

計画行列.....	76
形質転換率.....	51
系統保存.....	241
ゲノム編集技術.....	224
ゲノムワイド.....	252
ゲノムワイド CRISPR-KO ライブラリ.....	184
ゲノムワイドライブラリ.....	39, 41, 42

■ こ

抗がん剤.....	138
合成致死.....	233, 236
コントロール.....	59

■ さ

サイトメトリー.....	56, 60
細胞死.....	109, 113
細胞ソーティング.....	152
細胞変性効果.....	152
最尤推定.....	75, 77
サイレンシング.....	86
サンプリングエラー.....	13, 16, 74
サンプルインデックス.....	123

■ し

シアル酸受容体.....	160
シーケンス解析.....	64
シーケンスプライマー.....	123
ジーンセットエンリッチメント.....	75
事後分布.....	77
事前分布.....	77
受精能獲得.....	214
出芽.....	157
腫瘍細胞.....	167
小胞体ゴルジ中間区間.....	156
初代培養細胞.....	34
新規治療標的因子.....	248
シングルセル CRISPR.....	255
シングルセル RNA-seq.....	256

シングルセル解析.....	228
---------------	-----

■ す

スケールアップ.....	104
--------------	-----

■ せ

精細管インジェクション.....	211
精子幹細胞.....	209
精子ゲノム DNA.....	217
精子のカルシウムイオン (Ca ²⁺) 流入.....	214
精子のソーティング.....	215, 216
精子の培養.....	215
成熟過程.....	157
精巣上体尾部.....	215
精巣内ウイルスインジェクション.....	212
セルソーター.....	172
セルソーティング.....	60
全ゲノム増幅.....	206, 216, 218
潜在変数.....	77
センダイウイルス F タンパク質.....	209
選択圧.....	56, 57, 109, 240

■ そ

増殖スピード.....	57
増殖抑制.....	109, 110
増幅バイアス.....	216, 222
創薬標的同定.....	224
ソーター.....	116
ソーティング.....	120, 121

■ た

対数尤度関数.....	77
耐性.....	57, 109
耐性変異.....	160
タイリング.....	225
多重感染度.....	153
多重検定補正.....	74
多様性.....	15
タンパク質間相互作用.....	228
タンパク質機能ドメイン解析.....	224
タンパク質複合体構造解析.....	230

■ ち

治療抵抗性.....	162
------------	-----

■ て

抵抗性ががん細胞.....	168
データ解析.....	254
デザイン行列.....	76
デュアル gRNA ライブラリ.....	238
天然変性領域.....	225

■ と

ドメイン.....	225
ドラッグデリバリーシステム.....	158
トランスファーベクター.....	80

■ な

内胚葉分化.....	116
並べ替え検定.....	77

■ に

二重欠損細胞.....	233
-------------	-----

■ の

ノックアウト効率.....	72, 75
---------------	--------

■ は

パスウェイエンリッチメント.....	75
パッケージングシステム.....	80
発現クローニング.....	151

■ ひ

ピアソン相関.....	252
ヒストン.....	171
ビッグデータ.....	254
ヒット遺伝子.....	71
ヒト白血病細胞 K562.....	184
表現型アッセイ.....	56

■ ふ

プール型 gRNA ライブラリ.....	39
フォーカスライブラリ.....	41, 43, 94, 124
複製.....	90
負の二項分布.....	73, 75
プライマーゼ.....	206, 216

ブリッジRNA.....	25
フレームシフト変異.....	225
フローサイトメトリー.....	116, 181, 214
分化誘導.....	119
分子ネットワーク.....	238
分子標的治療.....	248
分子標的薬.....	109

■ へ

平均-分散モデル.....	74
変異細胞ライブラリ	
.....	50, 104, 105, 111, 114, 118

■ ほ

ポアソン分布.....	15
ホスファチジルコリン.....	181

■ ま

マウス急性骨髄性白血病細胞株.....	142
マルチオミクス解析.....	248
マルチカラーフローサイトメトリー	
.....	183

■ め

免疫チェックポイント阻害剤.....	162
--------------------	-----

■ も

網羅的解析.....	249
------------	-----

■ や

薬剤耐性.....	138, 228
-----------	----------

■ ゆ

尤度関数.....	77
-----------	----

■ ら

ライブラリ.....	90
ライブラリの再構成.....	218
ライブラリプラスミド.....	124
酪酸ナトリウム溶液.....	208

■ り

リバイバルスクリーニング法	
.....	206, 218
リン酸カルシウム法.....	209

■ れ

レンチウイルス.....	32
レンチウイルスベクター.....	40, 79, 95, 99