

正誤表・更新情報

本書中に訂正・更新箇所等がございました。お手数をお掛けしますが、下記ご参照頂けますようお願い申しあげます（2022年5月13日）

■第1刷（2021年4月15日発行）の修正・更新箇所

頁	場所	修正前	修正後	補足	掲載
導入編-1					
12	右段11行目	また、 ESI (electoron ionization)	また、 EI (electoron ionization)		21/07/16
実践編②-7					
153	下から3行目	溶媒に 5% (w/v)の酢酸アンモニウム	溶媒に 0.1% (w/v)の酢酸アンモニウム		21/07/16
実践編③-7					
243	1~11行目			※1参照	22/05/13
244	8~13行目			※2参照	22/05/13
245- 246	図4, 図5		<p>ソフトウェア transomics2cytoscape の入力データフォーマット(図4.5)の仕様が変更されました(現在は、記事中の入力データフォーマットでは transomics2cytoscape が動作しなくなっております)。</p> <p>本変更に伴うフォローアップは https://github.com/ecell/transomics2cytoscape/wiki/ に記載しております。ご参照をお願いいたします。</p>	<p>web付録の下記ファイル内容も変更がございます。</p> <ul style="list-style-type: none"> •workflow1to3.R •workflow4.R •yugi2014.cys 	22/05/13

図表

※1 ソフトウェアtransomics2cytoscapeの仕様変更に伴い、入力コードが変更になりました

```
workflow1to3.R

library(transomics2cytoscape)
networkDataDir <- tempfile(); dir.create(networkDataDir)
networkLayers <- system.file("extdata/usecase1", "yugi2014.tsv", package = "transomics2cytoscape")
stylexml <- system.file("extdata/usecase1", "yugi2014.xml", package = "transomics2cytoscape")
suid <- create3Dnetwork(networkDataDir, networkLayers, stylexml)
```

※2 ソフトウェアtransomics2cytoscapeの仕様変更に伴い、入力コードが変更になりました

```
workflow4.R

transomicEdges <- system.file("extdata/usecase1", "allosteric_ec2rea.tsv", package = "transomics2cytoscape")
suid <- createTransomicEdges(suid, transomicEdges)
```